



"Quality Assurance Program"

Programa de Aseguramiento de la Calidad Analítica



www.quik.com.co

**PROGRAMA DE ASEGURAMIENTO DE CALIDAD**  
**QAP-Q - Química sanguínea**

**LABORATORIO CLÍNICO COLMÉDICOS IPS SAS. CALI SEDE TEQUENDAMA**

Correo electrónico:  
coordinacionlaboratorio.cali@colmedicos.com  
Dirección: CALLE 5E 42A-15, TEQUENDAMA  
Ciudad: Cali Valle del Cauca  
País: Colombia  
Contacto: Mary Andreina Rosario  
Teléfono: 311 893 5940

**IDENTIFICACIÓN DEL LABORATORIO: 100210**

Código de reporte: QAP-Q-100210-49-3  
Ronda: 49  
Muestra: 3  
Código de la muestra: MJ2733  
Tipo de muestra: Liofilizado -Suero humano  
Fecha generación: 04 / octubre / 2023

Identificación Laboratorio:	100210
Ronda:	49
Muestra:	3
Código Muestra:	MJ2733
Fecha reporte:	2023-09-29
Estado:	Evaluación original

## 1. TÉRMINOS GENERALES

### Confidencialidad:

Quik SAS es una organización certificada bajo los estándares internacionales de la ISO 9001:2015 <sup>1</sup>, ISO 14001:2015 <sup>2</sup>, ISO 45001:2018 <sup>3</sup> y en cumplimiento al numeral 4.10 de ISO 17043:2010 <sup>4</sup>, garantiza la confidencialidad del presente reporte. La divulgación del presente informe se realizará únicamente al contacto autorizado por cada laboratorio. En caso de que la autoridad competente requiera información contenida en los reportes, será comunicado al participante involucrado con autorización expresa del mismo.

- (1) Sistema de gestión de calidad (SGC)
- (2) Sistema de gestión ambiental (SGA)
- (3) Sistema de gestión de seguridad y salud en el trabajo (SGSST)
- (4) Requisitos generales para los ensayos de aptitud

### Homogeneidad y estabilidad:

Quik SAS certifica la homogeneidad y estabilidad suficiente de los ítems incluidos en los ensayos a través de una rigurosa selección de los materiales de cada programa, garantizando las condiciones adecuadas en la cadena de transporte y a través de verificaciones con métodos estadísticos.

### Subcontrataciones:

La planificación, el diseño estadístico, la operación y la generación de los informes son realizados por Quik SAS. Los materiales utilizados para los programas de laboratorio clínico son contratados con Bio-Rad Laboratories Inc. y para los programas de patología anatómica con la fundación Santa Fé de Bogotá

Identificación Laboratorio:	100210
Ronda:	49
Muestra:	3
Código Muestra:	MJ2733
Fecha reporte:	2023-09-29
Estado:	Evaluación original

**2. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN**

1 IT	2 NOT	3 Mensurando	4 Analizador	5 Método	6 VRL	7 U-LAB	8 M-C	9 U-MC	10 DE-C	11 T-C	12 Zs	13 VAL	14 COMP
1		ALT (ALAT/GPT)	Roche Cobas c111	UV without P5P	87.7	U/L	96,39	U/L	5,55	Acumulada	-1,57	Satisfactorio	Método
2		AST (ASAT/GOT)	Roche Cobas c111	UV without P5P	176.2	U/L	192	U/L	12,17	Acumulada	-1,3	Satisfactorio	Método
3		Colesterol HDL	Roche Cobas c111	Direct Enzymatic Colorimetric	17.6	mg/dL	19,7	mg/dL	2,1	Inserto	-1	Satisfactorio	Par
4		Colesterol Total	Roche Cobas c111	CHOD-PAP	101.5	mg/dL	105	mg/dL	5,5	Inserto	-0,64	Satisfactorio	Par
5		Creatinina	Roche Cobas c111	Enzymatic	5.25	mg/dL	5,45	mg/dL	0,18	Acumulada	-1,13	Satisfactorio	Método
6		Glucosa	Roche Cobas c111	Hexokinase	278.7	mg/dL	280,3	mg/dL	8,29	Acumulada	-0,19	Satisfactorio	Método
7		Nitrógeno Uréico	Roche Cobas c111	Calculado	45.29	mg/dL	47	mg/dL	2,3	Inserto	-0,74	Satisfactorio	Par
8		Triglicéridos	Roche Cobas c111	GPO-PAP	89.4	mg/dL	98,9	mg/dL	4,05	Inserto	-2,35	Alarma	Par
9		Urea	Roche Cobas c111	Test cinético con Ureasa y Glutamato Deshidrogenasa	97.05	mg/dL	92,8	mg/dL	3,57	Consenso	1,19	Satisfactorio	Todos los laboratorios

<b>IT:</b> Item	<b>NOT:</b> Notificaciones	<b>VRL:</b> Valor reportado por el laboratorio	<b>U-LAB:</b> Unidades de laboratorio	<b>U-MC:</b> Unidades Originales de la media de comparación
<b>M-C:</b> Media del grupo de comparación	<b>DE-C:</b> Desviación estándar del grupo de comparación	<b>T-C:</b> Tipo de consenso	<b>Zs:</b> Z-score	<b>VAL:</b> Valoración
				<b>COMP:</b> Comparador

<p align="center"><b>Satisfactorio</b> si su resultado está entre +/- 2 Z-score.</p>	<p align="center"><b>Alarma</b> si su resultado está entre 2 y 3 Z-score.</p>	<p align="center"><b>No satisfactorio</b> si su resultado es mayor a 3 Z-score.</p>	<input type="checkbox"/> Tardío	<input checked="" type="checkbox"/> Ausente	<input type="checkbox"/> Revalorado
--	---	---	------------------------------------	--	--



**Quality Assurance Program  
PROGRAMA DE ASEGURAMIENTO EXTERNO  
QAP-Q - Química sanguínea**

Identificación Laboratorio:	100210
Ronda:	49
Muestra:	3
Código Muestra:	MJ2733
Fecha reporte:	2023-09-29
Estado:	Evaluación original

**3. EVALUACIÓN CON VALOR OBTENIDO CON EL MÉTODO TRAZABLE A MATERIAL Y/O MÉTODO AVALADO POR EL JCTLM**

1 Item	2 Mensurando	3 VRL	4 U-LAB	5 $X_{pt}$	6 $U-X_{pt}$	7 M-REF	8 D%	9 ETmp/APS	10 Límites aceptación Bajo Alto	11 Valoración

<b>VRL:</b> Valor reportado por el laboratorio				<b>U-Xpt:</b> Unidades del valor aceptado como verdadero						
<b>U-LAB:</b> Unidades de laboratorio			<b>M-REF:</b> Método de referencia				<b>D%</b> Diferencia porcentual %			

Satisfactorio: El resultado reportado por el laboratorio NO supera la diferencia porcentual del ETmp%/APS comparado con $X_{pt}$			No satisfactorio: El resultado reportado por el laboratorio SI supera la diferencia porcentual del ETmp%/APS comparado con $X_{pt}$				ETmp%/APS Error Total máximo permisible * Fuente CLIA 2022		$X_{pt}$ Valor aceptado como verdadero	
--	--	--	---	--	--	--	--	--	---	--

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON  $X_{pt}$  (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

ALT (ALAT/GPT)

87.7 U/L Roche Cobas c111

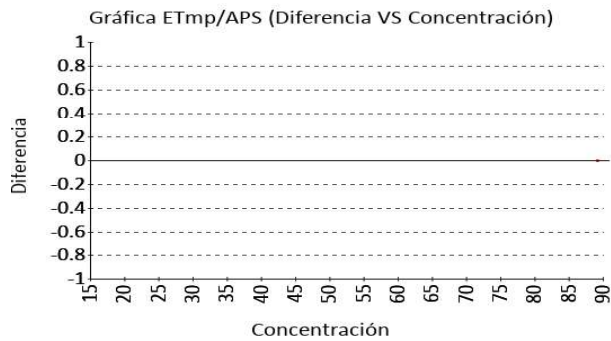
UV without P5P

CLIA  
2022

15  
ETmp%/APS

1 Fuente de comparación	2 $X_{pt}$	3 D.E.	4 n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM <sup>1</sup>	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	96,39	5,55	4486	85,29 a 107,49	-9,02	-1,57	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	94,43	9,12	37	76,2 a 112,67	-7,13	-0,74	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	93,47	4,52	23	84,43 a 102,5	-6,17	-1,28	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



AST (ASAT/GOT)

176.2 U/L Roche Cobas c111

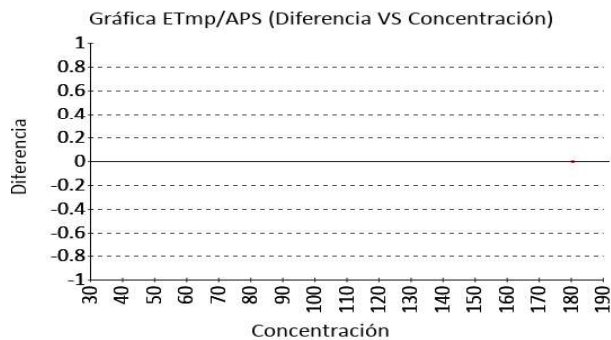
UV without P5P

CLIA  
2022

15  
ETmp%/APS

1 Fuente de comparación	2 $X_{pt}$	3 D.E.	4 n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM <sup>1</sup>	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	192	12,17	4719	167,66 a 216,34	-8,23	-1,3	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP DM1	186,78	6,74	27	173,31 a 200,26	-5,67	1,57	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	186,03	6,77	21	172,48 a 199,57	-5,28	-1,45	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Identificación Laboratorio:	100210
Ronda:	49
Muestra:	3
Código Muestra:	MJ2733
Fecha reporte:	2023-09-29
Estado:	Evaluación original

**4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON X<sub>PT</sub> (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)**

**Colesterol HDL**

**17.6 mg/dL** Roche Cobas c111

Direct Enzymatic  
Colorimetric

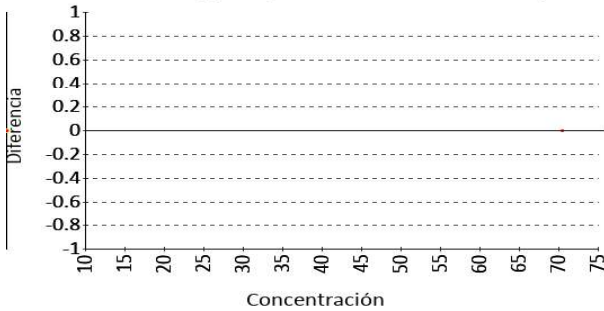
CLIA  
2022

20  
ETmp%/APS

1 Fuente de comparación	2 X <sub>pt</sub>	3 D.E.	4 n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM <sup>1</sup>	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de inserto	19,7	2,1	N/A	15,5 a 23,9	-10,66	-1	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP DM1	18,43	0,68	27	17,08 a 19,79	-4,52	-1,23	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	18,34	0,64	23	17,05 a 19,63	-4,04	-1,15	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM

Gráfica ETmp/APS (Diferencia VS Concentración)



Gráfica Z-score vs concentración



**Colesterol Total**

**101.5 mg/dL** Roche Cobas c111

CHOD-PAP

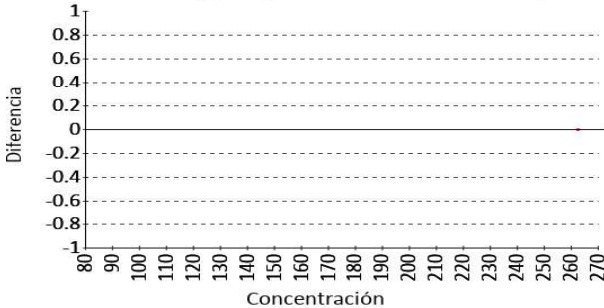
CLIA  
2022

10  
ETmp%/APS

1 Fuente de comparación	2 X <sub>pt</sub>	3 D.E.	4 n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM <sup>1</sup>	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de inserto	105	5,5	N/A	94 a 116	-3,33	-0,64	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	105	7,61	45	89,78 a 120,22	-3,34	-0,46	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	100,57	5,53	10	89,51 a 111,63	0,93	0,17	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM

Gráfica ETmp/APS (Diferencia VS Concentración)



Gráfica Z-score vs concentración



Identificación Laboratorio:	100210
Ronda:	49
Muestra:	3
Código Muestra:	MJ2733
Fecha reporte:	2023-09-29
Estado:	Evaluación original

**4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON  $X_{PT}$  (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)**

**Creatinina**

**5.25 mg/dL** Roche Cobas c111

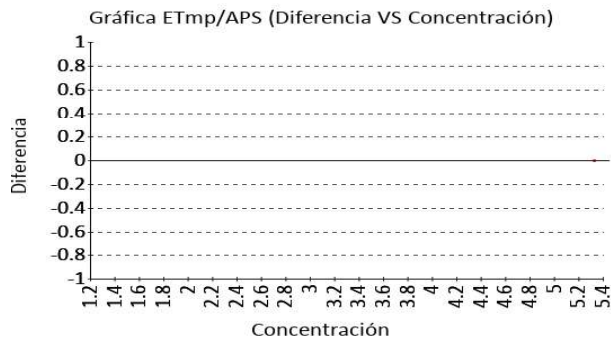
Enzymatic

CLIA  
2022

10  
ETmp%/APS

1 Fuente de comparación	2 $X_{pt}$	3 D.E.	4 n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM <sup>1</sup>	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	5,45	0,18	1757	5,1 a 5,8	-3,67	-1,13	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	5,38	0,22	44	4,93 a 5,83	-2,43	-0,59	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	5,34	0,17	18	5 a 5,68	-1,71	-0,54	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



**Glucosa**

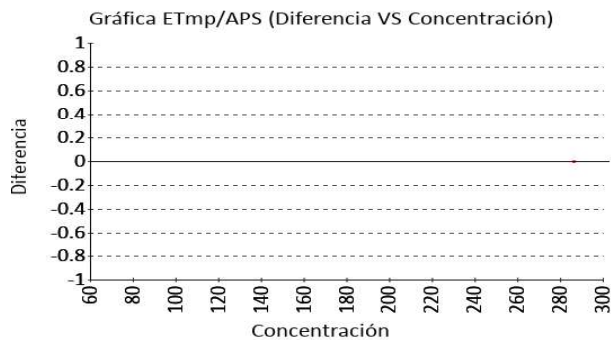
**278.7 mg/dL** Roche Cobas c111

Hexokinase

CLIA 8 ETmp%/APS  
2022

1 Fuente de comparación	2 $X_{pt}$	3 D.E.	4 n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM <sup>1</sup>	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	280,3	8,29	7086	263,72 a 296,88	-0,57	-0,19	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	280,24	8,22	46	263,81 a 296,67	-0,55	-0,19	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	282,77	5,39	31	271,99 a 293,56	-1,44	-0,76	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





Identificación Laboratorio:	100210
Ronda:	49
Muestra:	3
Código Muestra:	MJ2733
Fecha reporte:	2023-09-29
Estado:	Evaluación original

**4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON X<sub>PT</sub> (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)**

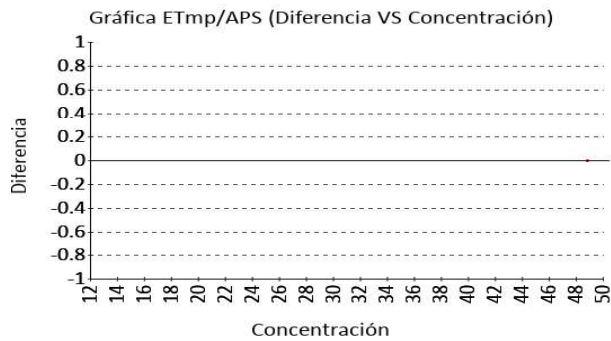
**Nitrógeno Uréico**

**45.29 mg/dL** Roche Cobas c111

Calculado CLIA 9 ETmp%/APS 2022

1 Fuente de comparación	2 X <sub>pt</sub>	3 D.E.	4 n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM <sup>1</sup>	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de inserto	47	2,3	N/A	42,4 a 51,6	-3,64	-0,74	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP DM1	44,19	2,79	24	38,61 a 49,77	2,48	0,39	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	43,68	2,37	10	38,94 a 48,42	3,69	0,68	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



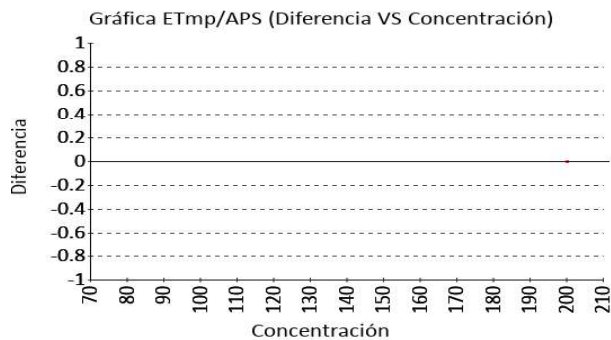
**Triglicéridos**

**89.4 mg/dL** Roche Cobas c111

GPO-PAP CLIA 2022 ETmp%/APS 15

1 Fuente de comparación	2 X <sub>pt</sub>	3 D.E.	4 n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM <sup>1</sup>	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de inserto	98,9	4,05	N/A	90,8 a 107	-9,61	-2,35	Alarma
Todos los participantes de QAP	93,09	5,77	46	81,54 a 104,63	-3,96	-0,64	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	90,87	3,55	10	83,78 a 97,96	-1,62	-0,42	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





**4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON  $X_{PT}$  (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)**

**Urea**

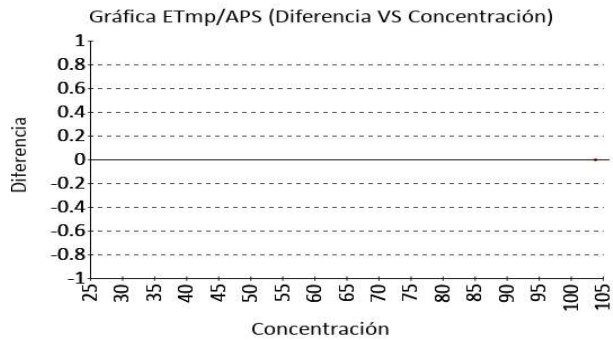
**97.05 mg/dL** Roche Cobas c111

Test cinético con Ureasa y Glutamato Deshidrogenasa

CLIA 9 ETmp%/APS 2022

1 Fuente de comparación	2 $X_{pt}$	3 D.E.	4 n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM <sup>1</sup>	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Todos los participantes de QAP DM1	92,8	3,57	10	85,66 a 99,94	4,58	1,19	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	93,49	4,89	10	83,71 a 103,27	3,81	0,73	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Identificación Laboratorio:	100210
Ronda:	49
Muestra:	3
Código Muestra:	MJ2733
Fecha reporte:	2023-09-29
Estado:	Evaluación original

### 5. INFORME DE TRAZABILIDAD METROLÓGICA

1	2	3	4	5	6	7	8
Ítem	Mensurando	Analizador	Metodología declarada por el fabricante	Metodología de referencia avalada por el JCTLM	Material trazable declarado por el fabricante	Materia de referencia avalada por el JCTLM	Estado de trazabilidad
1	ALT (ALAT/GPT)	Roche Cobas c111	UV without P5P	4	No declarado		No trazable
2	AST (ASAT/GOT)	Roche Cobas c111	UV without P5P	40	No declarado	12	No trazable
3	Colesterol HDL	Roche Cobas c111	Direct Enzymatic Colorimetric	16	No declarado	66	No trazable
4	Colesterol Total	Roche Cobas c111	CHOD-PAP	18 20 19 21 22	No declarado	25 100 30 101 31 29 28 27 26	No trazable
5	Creatinina	Roche Cobas c111	Enzymatic	26 24 25 27 28	No declarado	42 43 44 41 47 48 45 46 51 52 50 49 40	No trazable
6	Glucosa	Roche Cobas c111	Hexokinase	33 34 35 36	No declarado	60 62 61 63 64	No trazable
7	Nitrógeno Uréico	Roche Cobas c111	Calculado		No declarado		No trazable
8	Triglicéridos	Roche Cobas c111	GPO-PAP	77 78	No declarado	106 104 105	No trazable
9	Urea	Roche Cobas c111	Test cinético con Ureasa y Glutamato Deshidrogenasa	79	No declarado	108 110 111 107 109	No trazable

#### Nomenclatura método

**4:** Kinetic spectrophotometry **40:** Kinetic spectrophotometry **16:** Ultracentrifugation removes VLDL, d 1.006, preventing interference (TG) with the heparin/Mn2+ precipitation step for removal of non-HDL. HDL cholesterol is spectrophotometric. **18:** HPLC **20:** ID-LC/MS/MS **19:** ID/GC/MS **21:** Isotope dilution LCMS **22:** Spectrophotometry **26:** ID-LC/MS **24:** ID/GC/MS **25:** ID/LC/MS, ID/LC/MS/MS **27:** Isotope dilution LCMS **28:** Isotope dilution surface enhanced Raman scattering (ID/SERS) **33:** Enzymatic **34:** ID/GC/MS **35:** ID/LC/MS/MS **36:** Spectrophotometry **77:** ID/GC/MS **78:** Spectrophotometry **79:** ID/GC/MS



#### Nomenclatura materiales

**12:** ERM-AD457/IFCC, aspartate aminotransferase **66:** LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, total glycerides, HDL-cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum **25:** GBW09203b, cholesterol **100:** HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum Name of the reference material **30:** JCCRM 211, cholesterol **101:** LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, total glycerides, HDL cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum **31:** NMIJ CRM 6001-a, Cholesterol **29:** SRM 1951b, lipids in frozen human serum **28:** SRM 1952a, cholesterol in human serum **27:** SRM 909b, human serum **26:** SRM 911c, Cholesterol **42:** BCR-573, creatinine in human serum **43:** BCR-574, creatinine in human serum **44:** BCR-575, creatinine in human serum **41:** DMR 263a, Frozen human serum **47:** ERM-DA250a **48:** ERM-DA251a **45:** ERM-DA252a **46:** ERM-DA253a **51:** HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum **52:** LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, total glycerides, HDL-cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum **50:** NMIJ CRM 6005-a, Creatinine **49:** SRM 909b, human serum **40:** SRM 914a, creatinine **60:** DMR 263a, Frozen human serum **62:** HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum **61:** JCCRM521 **63:** LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, total glycerides, HDL-cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum **64:** NIM CRM GBW 10062, Purity of Glucose **106:** JCCRM 223, lipids **104:** NMIJ CRM 6009-a, Triolein **105:** SRM 909b, human serum **108:** GBW09201, urea **110:** HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum **111:** NMIJ CRM 6006-a, Urea **107:** SRM 909b, human serum **109:** SRM 912a, urea (clinical standard)

Identificación Laboratorio:	100210
Ronda:	49
Muestra:	3
Código Muestra:	MJ2733
Fecha reporte:	2023-09-29
Estado:	Evaluación original

**6. RESUMEN DE RONDA**

Ítem	Mensurando	Muestra 1			Muestra 2			Muestra 3			Muestra 4			Muestra 5			Muestra 6		
		Dif% con RL-MMT-JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	Dif% con RL-MMT-JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	Dif% con RL-MMT-JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	Dif% con RL-MMT-JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	Dif% con RL-MMT-JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	Dif% con RL-MMT-JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP
1	ALT (ALAT/GPT)	N/A	-1,3	-0,57	N/A	-1,4	-1,12	N/A	-1,57	-0,74									
2	AST (ASAT/GOT)	N/A	-0,92	-0,81	N/A	-0,26	-0,43	N/A	-1,3	-1,57									
3	Colesterol HDL	N/A	-0,57	-0,6	N/A	-1,02	-0,8	N/A	-1	-1,23									
4	Colesterol Total	N/A	1,3	0,94	N/A	1,16	2,13	N/A	-0,64	-0,46									
5	Creatinina	N/A	-0,68	-0,23	N/A	-0,7	-0,46	N/A	-1,13	-0,59									
6	Glucosa	N/A	0,76	0,77	N/A	0,82	0,69	N/A	-0,19	-0,19									
7	Nitrógeno Uréico	N/A	0,82	1,28	N/A	0,99	0,6	N/A	-0,74	0,39									
8	Triglicéridos	N/A	-1,65	-0,15	N/A	-1,71	-0,53	N/A	-2,35	-0,64									
9	Urea	N/A	N/A	0,91	N/A	N/A	1,51	N/A	N/A	1,19									
<b>Notificaciones</b>		0 0 0 9			0 0 0 0			0 0 0 0			0 0 0 0			0 0 0 0			0 0 0 0		

<b>X<sub>pt</sub></b> - La diferencia porcentual es inferior o igual al error total máximo permisible.	<b>X<sub>pt</sub></b> - La diferencia porcentual es superior al error total máximo permisible.	<b>Satisfactorio</b> si su resultado está entre +/- 2 Z-score.	<b>Alarma</b> si su resultado está entre 2 y 3 Z-score.	<b>No satisfactorio</b> si su resultado es mayor a 3 Z-score.	<b>N/A</b> No aplica	 Tardío	<input checked="" type="checkbox"/> Ausente	 Revalorado
--	--	--	---	---	----------------------	--	---	--

Identificación Laboratorio:	100210
Ronda:	49
Muestra:	3
Código Muestra:	MJ2733
Fecha reporte:	2023-09-29
Estado:	Evaluación original

**7. INDICADORES DE COMPETENCIA TÉCNICA**

**7.1. DESEMPEÑO PARA LAS 3 MUESTRAS**



Observaciones:	Revisado por:
	Fecha:

-- Final de reporte --

*Maria Paula Mora E.*

Aprobado por:

Especialista de aplicaciones  
Programas QAP