



"Quality Assurance Program"

Programa de Aseguramiento de la Calidad Analítica



www.quik.com.co

PROGRAMA DE ASEGURAMIENTO DE CALIDAD
QAP-Q - Química sanguínea

LABORATORIO REHABILITAR IPS NUEVA POPAYÁN

Correo electrónico: mppabonc@gmail.com
Dirección: Carrera 11 # 13N - 51 Santa Clara
Ciudad: Popayán Cauca
País: Colombia
Contacto: Maria del Pilar Pabón
Teléfono: 3006344227

IDENTIFICACIÓN DEL LABORATORIO: 100184

Código de reporte: QAP-Q-100184-42-4
Ronda: 42
Muestra: 4
Código de la muestra: AB2630
Tipo de muestra: Liofilizado -Suero humano
Fecha generación: 12 / octubre / 2022

| | |
|-----------------------------|---------------------|
| Identificación Laboratorio: | 100184 |
| Ronda: | 42 |
| Muestra: | 4 |
| Código Muestra: | AB2630 |
| Fecha reporte: | 2022-10-03 |
| Estado: | Evaluación original |

1. TÉRMINOS GENERALES

Confidencialidad:

Quik SAS como organización certificada ISO 27001:2013 ¹, y en cumplimiento al numeral 4.10 de ISO 17043:2010 ², garantiza la confidencialidad del presente reporte. La divulgación del presente informe se realizará únicamente al contacto autorizado por cada laboratorio. En caso de que la autoridad competente requiera información contenida en los reportes, será comunicado al participante involucrado con autorización expresa del mismo.

- (1) Sistema de gestión de la seguridad de la información y en cumplimiento con el numeral.
- (2) Requisitos generales para los ensayos de aptitud

Homogeneidad y estabilidad:

Quik SAS certifica la homogeneidad y estabilidad suficiente de los ítems incluidos en los ensayos a través de una rigurosa selección de los materiales de cada programa, garantizando las condiciones adecuadas en la cadena de transporte y a través de verificaciones con métodos estadísticos.

Subcontrataciones:

La planificación, el diseño estadístico, la operación y la generación de los informes son realizados por Quik SAS. Los materiales utilizados para los programas de laboratorio clínico son contratados con Bio-Rad Laboratories Inc. y para los programas de patología anatómica con la fundación Santa Fé de Bogotá

2. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN

| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 | 14 |
|----|-----|---------------------------------|------------|---|--------|--------|-------|--------|-------|-----------|-------|---------------|------------------------|
| IT | NOT | Mensurando | Analizador | Método | VRL | U-LAB | M-C | U-MC | DE-C | T-C | Zs | VAL | COMP |
| 1 | ☒ | Acido Úrico | BA - 400 | Uricase, UV | 9.51 | mg/dL | 9,97 | mg/dL | 0,41 | Acumulada | -1,13 | Satisfactorio | Método |
| 2 | ☒ | Albumina | BA - 400 | Bromcresol green (BCG) | 2.75 | g/dL | 2,72 | g/dL | 0,21 | Acumulada | 0,14 | Satisfactorio | Método |
| 3 | ☒ | ALT (ALAT/GPT) | BA - 400 | UV without P5P | 98 | U/L | 95,33 | U/L | 6,08 | Acumulada | 0,44 | Satisfactorio | Método |
| 4 | ☒ | Amilasa | BA - 400 | CNP-triose/CNPG3 | 408 | U/L | 359 | U/L | 27 | Inserto | 1,81 | Satisfactorio | Método |
| 5 | ☒ | AST (ASAT/GOT) | BA - 400 | UV without P5P | 213 | U/L | 192,2 | U/L | 14,17 | Acumulada | 1,47 | Satisfactorio | Método |
| 6 | ☒ | Bilirrubina Directa | BA - 400 | DPD | 0.877 | mg/dL | 1,11 | mg/dL | 0,17 | Inserto | -1,37 | Satisfactorio | Par |
| 7 | ☒ | Bilirrubina Total | BA - 400 | DPD | 3.99 | mg/dL | 4,16 | mg/dL | 0,2 | Acumulada | -0,86 | Satisfactorio | Método |
| 8 | ☒ | Bilirrubina Indirecta | BA - 400 | Calculado | 3.11 | mg/dL | 3,38 | mg/dL | 0,22 | Mensual | -1,24 | Satisfactorio | Todos los laboratorios |
| 9 | ☒ | Calcio | BA - 400 | Arsenazo III | 11.95 | mg/dL | 11,95 | mg/dL | 0,35 | Acumulada | 0 | Satisfactorio | Método |
| 10 | ☒ | CK (Creatine Kinase) | BA - 400 | NAC Activated - IFCC REF | 413 | U/L | 442,9 | U/L | 21,07 | Acumulada | -1,42 | Satisfactorio | Método |
| 11 | ☒ | Cloro | BA - 400 | ISE direct | 87.5 | mmol/L | 84,9 | mmol/L | 4,58 | Acumulada | 0,57 | Satisfactorio | Método |
| 12 | ☒ | Colesterol HDL | BA - 400 | Direct measure | 28.4 | mg/dL | 26,4 | mg/dL | 3,3 | Inserto | 0,61 | Satisfactorio | Par |
| 13 | ☒ | Colesterol LDL | BA - 400 | Direct measure | 52 | mg/dL | 60,88 | mg/dL | 6,23 | Acumulada | -1,43 | Satisfactorio | Método |
| 14 | ☒ | Colesterol Total | BA - 400 | Colesterol oxidasa, esterasa, peroxidasa | 99 | mg/dL | 102,8 | mg/dL | 4,7 | Acumulada | -0,81 | Satisfactorio | Método |
| 15 | ☒ | Creatinina | BA - 400 | Alkaline picrate method | 4.84 | mg/dL | 5,48 | mg/dL | 0,4 | Acumulada | -1,59 | Satisfactorio | Método |
| 16 | ☒ | Fosfatasa Alcalina | BA - 400 | PNPP, AMP Buffer | 466 | U/L | 427,5 | U/L | 42,55 | Mensual | 0,9 | Satisfactorio | Método |
| 17 | ☒ | Fósforo | BA - 400 | Phosphomolybdate-UV | 7.72 | mg/dL | 7,34 | mg/dL | 0,29 | Acumulada | 1,3 | Satisfactorio | Todos los laboratorios |
| 18 | ☒ | Gamma glutamiltransferasa (GGT) | BA - 400 | G-Glutamin- Carboxy - Nitroanilida IFCC - Ref. proc., Calibrado | 158.87 | U/L | 160,4 | U/L | 7,92 | Acumulada | -0,19 | Satisfactorio | Método |
| 19 | ☒ | Glucosa | BA - 400 | Glucose oxidase, hydrogen peroxide (Trinder) | 276 | mg/dL | 267,6 | mg/dL | 10,64 | Acumulada | 0,79 | Satisfactorio | Método |
| 20 | ☒ | Hierro | BA - 400 | Ferrozine-deproteinization | 66 | ug/dL | 67,46 | ug/dL | 4,19 | Mensual | -0,35 | Satisfactorio | Método |
| 21 | ☒ | LD (Lactato Deshidrogenasa) | BA - 400 | Pyruvate to lactate | 829 | U/L | 849,3 | U/L | 71,89 | Acumulada | -0,28 | Satisfactorio | Método |
| 22 | ☒ | Magnesio | BA - 400 | Xylydyl blue | 3.89 | mg/dL | 4,34 | mg/dL | 0,19 | Acumulada | -2,43 | Alarma | Método |
| 23 | ☒ | Nitrógeno Uréico | BA - 400 | Urease, UV | 43.9 | mg/dL | 47,12 | mg/dL | 3,49 | Mensual | -0,92 | Satisfactorio | Todos los laboratorios |
| 24 | ☒ | Potasio | BA - 400 | ISE direct | 5.80 | mmol/L | 5,98 | mmol/L | 0,2 | Acumulada | -0,9 | Satisfactorio | Método |
| 25 | ☒ | Proteínas totales | BA - 400 | Biuret | 4.17 | g/dL | 4,42 | g/dL | 0,34 | Acumulada | -0,74 | Satisfactorio | Método |
| 26 | ☒ | Sodio | BA - 400 | ISE direct | 123.5 | mmol/L | 125,3 | mmol/L | 2,95 | Acumulada | -0,61 | Satisfactorio | Método |
| 27 | ☒ | Triglicéridos | BA - 400 | GPO-PAP | 91 | mg/dL | 100,1 | mg/dL | 5,74 | Acumulada | -1,59 | Satisfactorio | Todos los laboratorios |
| 28 | ☒ | Urea | BA - 400 | Urease, UV | 94 | mg/dL | 100,2 | mg/dL | 4,54 | Acumulada | -1,37 | Satisfactorio | Método |

| | | | | | |
|--|---|--|---------------------------------------|---|-------------------------|
| IT: Item | NOT: Notificaciones | VRL: Valor reportado por el laboratorio | U-LAB: Unidades de laboratorio | U-MC: Unidades Originales de la media de comparación | |
| M-C: Media del grupo de comparación | DE-C: Desviación estándar del grupo de comparación | T-C: Tipo de consenso | Zs: Z-score | VAL: Valoración | COMP: Comparador |

| | | | | | |
|---|--|--|---|--|---|
| Satisfactorio si su resultado está entre +/- 2 Z-score. | Alarma si su resultado está entre 2 y 3 Z-score. | No satisfactorio si su resultado es mayor a 3 Z-score. |  Tardío | <input checked="" type="checkbox"/> Ausente |  Revalorado |
|---|--|--|---|--|---|

| | |
|-----------------------------|---------------------|
| Identificación Laboratorio: | 100184 |
| Ronda: | 42 |
| Muestra: | 4 |
| Código Muestra: | AB2630 |
| Fecha reporte: | 2022-10-03 |
| Estado: | Evaluación original |

3. EVALUACIÓN CON VALOR OBTENIDO CON EL MÉTODO TRAZABLE A MATERIAL Y/O MÉTODO AVALADO POR EL JCTLM

| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | | 11 | |
|------|---------------------------------|--------|-------|---------|----------|--|--------|-------|--------------------|--------|------------------|------------|
| Item | Mensurando | VRL | U-LAB | V.A.V. | U-V.A.V. | M-REF | D% | ETmp% | Límites aceptación | Bajo | Alto | Valoración |
| 1 | Albúmina | 2.75 | g/dL | 2.700 | g/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | 1,85 | 8 | 2,48 | 2,92 | Satisfactorio | |
| 2 | Amilasa | 408 | U/L | 409.000 | U/L | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | -0,24 | 30 | 286,3 | 531,7 | Satisfactorio | |
| 3 | Bilirrubina Directa | 0.877 | mg/dL | 1.140 | mg/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | -23,07 | 20 | 0,91 | 1,37 | No satisfactorio | |
| 4 | Bilirrubina Total | 3.99 | mg/dL | 4.200 | mg/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | -5 | 20 | 3,36 | 5,04 | Satisfactorio | |
| 5 | Bilirrubina Indirecta | 3.11 | mg/dL | 3.060 | mg/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | 1,63 | 20 | 2,45 | 3,67 | Satisfactorio | |
| 6 | Calcio | 11.95 | mg/dL | 11.840 | mg/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | 0,93 | 3 | 10,78 | 12,9 | Satisfactorio | |
| 7 | CK (Creatine Kinase) | 413 | U/L | 451.590 | U/L | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | -8,55 | 30 | 316,11 | 587,07 | Satisfactorio | |
| 8 | Colesterol HDL | 28.4 | mg/dL | 28.400 | mg/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | 0 | 30 | 19,88 | 36,92 | Satisfactorio | |
| 9 | Colesterol LDL | 52 | mg/dL | 60.000 | mg/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | -13,33 | 30 | 42 | 78 | Satisfactorio | |
| 10 | Colesterol Total | 99 | mg/dL | 104.000 | mg/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | -4,81 | 10 | 93,6 | 114,4 | Satisfactorio | |
| 11 | Creatinina | 4.84 | mg/dL | 5.070 | mg/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | -4,54 | 10 | 4,56 | 5,58 | Satisfactorio | |
| 12 | Fosfatasa Alcalina | 466 | U/L | 430.200 | U/L | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | 8,32 | 30 | 301,14 | 559,26 | Satisfactorio | |
| 13 | Gamma glutamiltransferasa (GGT) | 158.87 | U/L | 158.900 | U/L | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | -0,02 | 3 | 135,14 | 182,66 | Satisfactorio | |
| 14 | Glucosa | 276 | mg/dL | 282.000 | mg/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | -2,13 | 8 | 259,44 | 304,56 | Satisfactorio | |
| 15 | LD (Lactato Deshidrogenasa) | 829 | U/L | 410.000 | U/L | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | 102,2 | 20 | 328 | 492 | No satisfactorio | |
| 16 | Magnesio | 3.89 | mg/dL | 4.430 | mg/dL | Ver sección 5: Informe de trazabilidad metrológica | -12,19 | 25 | 3,32 | 5,54 | Satisfactorio | |

| | |
|--|---|
| VRL: Valor reportado por el laboratorio | U-V.A.V.: Unidades del valor aceptado como verdadero |
| U-LAB: Unidades de laboratorio | M-REF: Método de referencia |
| | D% Diferencia porcentual % |

| | | | |
|--|---|--|---|
| Satisfactorio: El resultado reportado por el laboratorio NO supera la diferencia porcentual del ETmp comparado con V.A.V | No satisfactorio: El resultado reportado por el laboratorio SI supera la diferencia porcentual del ETmp comparado con V.A.V | ETmp Error Total máximo permisible * Fuente CLIA | V.A.V. Valor aceptado como verdadero |
|--|---|--|---|

| | |
|-----------------------------|---------------------|
| Identificación Laboratorio: | 100184 |
| Ronda: | 42 |
| Muestra: | 4 |
| Código Muestra: | AB2630 |
| Fecha reporte: | 2022-10-03 |
| Estado: | Evaluación original |

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Ácido Úrico

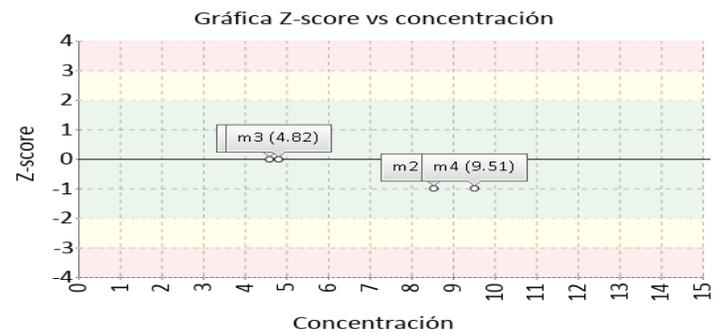
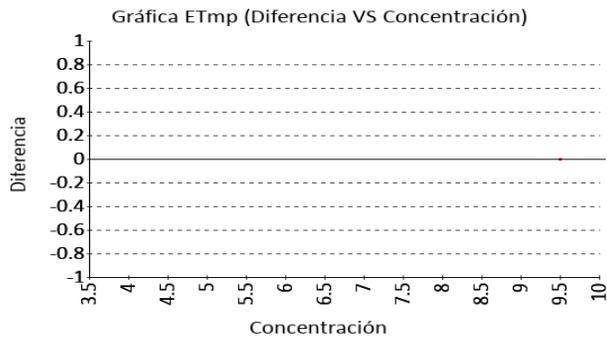
9.51 mg/dL

Uricase, UV

10% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 9,97 | 0,41 | 15235 | 9,16 a 10,78 | -4,61 | -1,13 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 9,38 | 0,69 | 5 | 8,01 a 10,76 | 1,34 | 0,18 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 9,11 | 0,57 | 2 | 7,96 a 10,25 | 4,45 | 0,71 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Albúmina

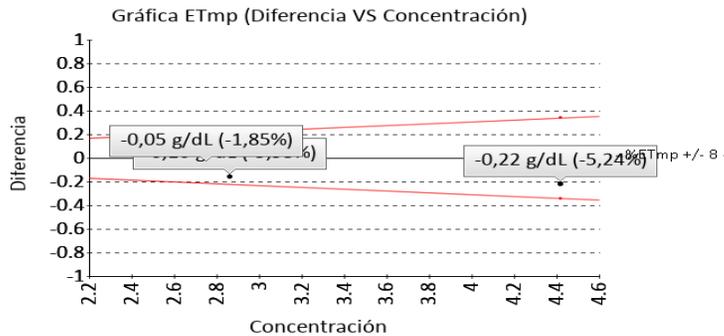
2.75 g/dL

Bromcresol green (BCG)

8% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|--------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 2.700 | N/A | N/A | N/A | -1,85 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 2,72 | 0,21 | 114000 | 2,29 a 3,15 | 1,1 | 0,14 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 2,8 | 0,16 | 4 | 2,48 a 3,12 | -1,87 | -0,33 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 2,85 | 0,14 | 2 | 2,57 a 3,13 | -3,51 | -0,71 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

ALT (ALAT/GPT)

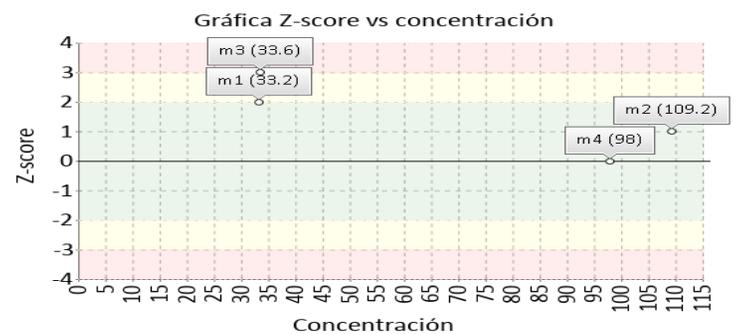
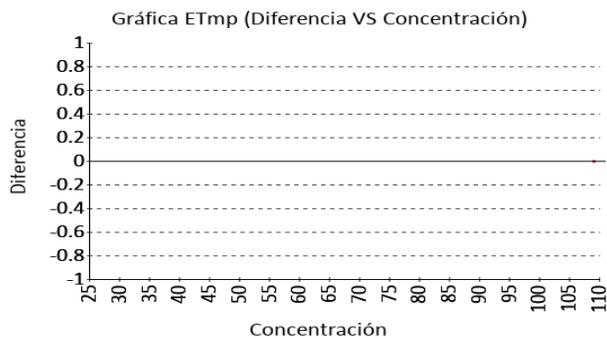
98 U/L

UV without P5P

20% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|--------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 95,33 | 6,08 | 111000 | 83,17 a 107,49 | 2,8 | 0,44 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 91,89 | 14,88 | 8 | 62,13 a 121,64 | 6,65 | 0,41 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 99,1 | 7,15 | 4 | 84,8 a 113,4 | -1,11 | -0,15 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Amilasa

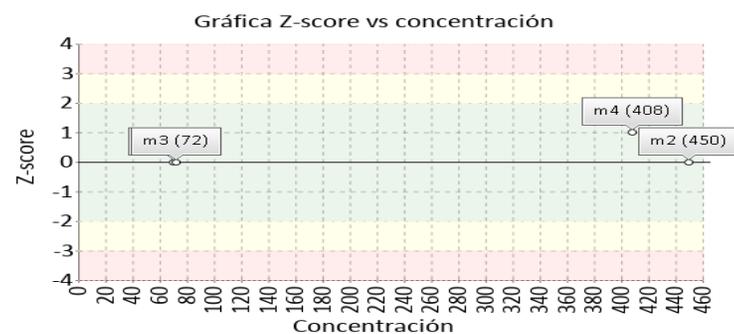
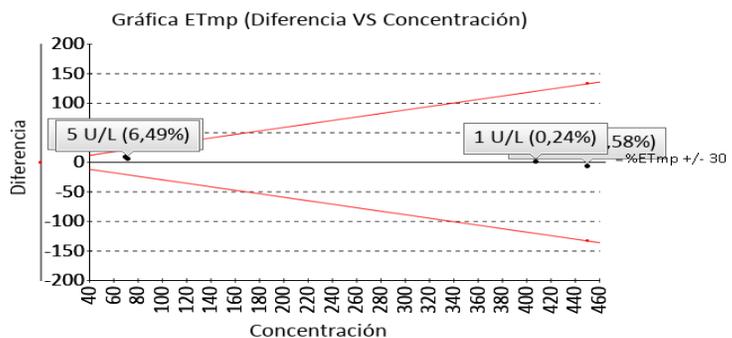
408 U/L

CNP-triose/CNPG3

30% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-------------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 409,000 | N/A | N/A | N/A | 0,24 | N/A | Satisfactorio |
| Media de inserto | 359 | 27 | N/A | 305 a 413 | 13,65 | 1,81 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 479,63 | 319,63 | 3 | -159,63 a 1118,89 | -14,93 | -0,22 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 618,5 | 297,69 | 2 | 23,12 a 1213,88 | -34,03 | -0,71 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

AST (ASAT/GOT)

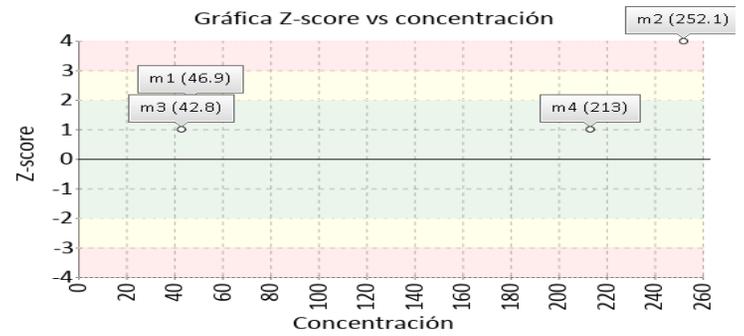
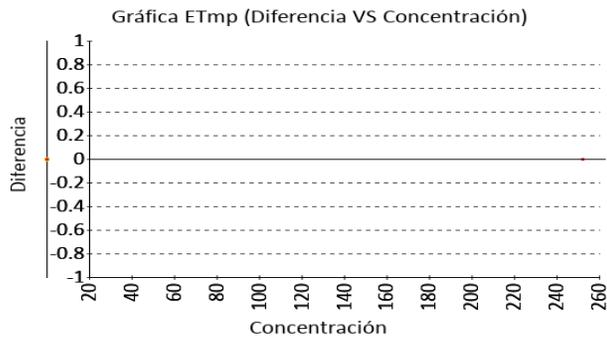
213 U/L

UV without P5P

20% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|--------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 192,2 | 14,17 | 105000 | 163,86 a 220,54 | 10,82 | 1,47 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 207,42 | 12,99 | 8 | 181,45 a 233,39 | 2,69 | 0,43 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 207 | 18,92 | 4 | 169,16 a 244,84 | 2,9 | 0,32 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Bilirrubina Directa

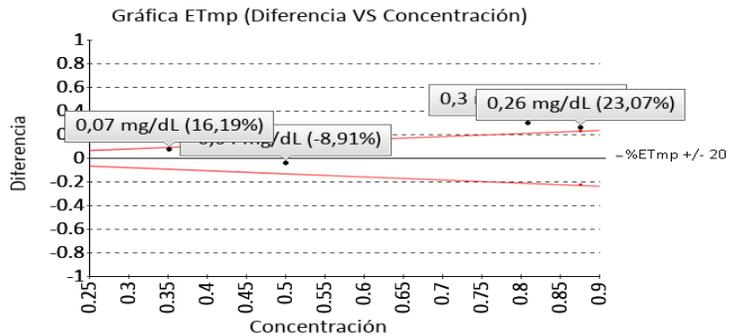
0.877 mg/dL

DPD

20% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|------------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 1,140 | N/A | N/A | N/A | 23,07 | N/A | No satisfactorio |
| Media de inserto | 1,11 | 0,17 | N/A | 0,77 a 1,45 | -20,99 | -1,37 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 0,88 | 0,32 | 5 | 0,23 a 1,53 | -0,5 | -0,01 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 0,88 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Bilirrubina Total

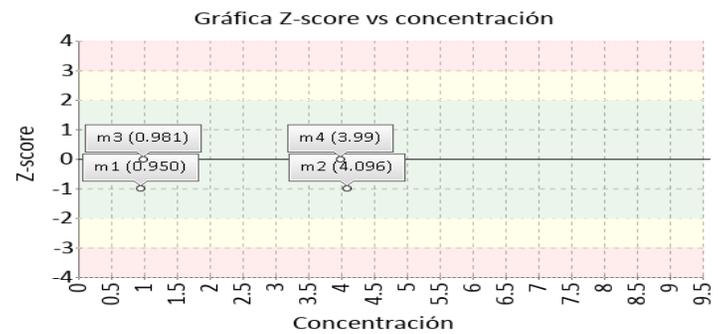
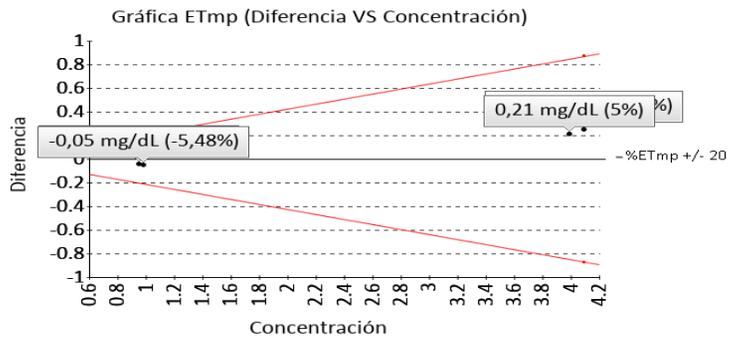
3.99 mg/dL

DPD

20% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 4.200 | N/A | N/A | N/A | 5 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 4,16 | 0,2 | 35409 | 3,76 a 4,56 | -4,09 | -0,86 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 4,13 | 0,42 | 6 | 3,29 a 4,98 | -3,47 | -0,34 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 3,99 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Bilirrubina Indirecta

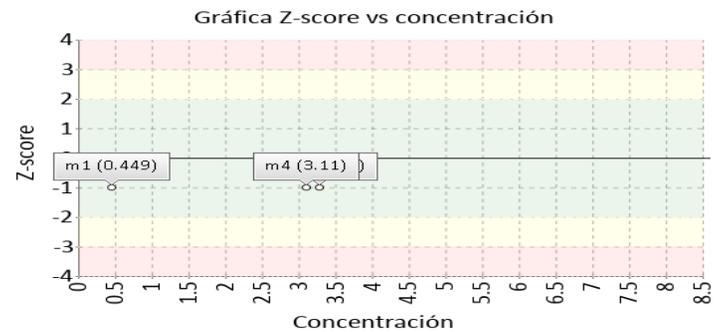
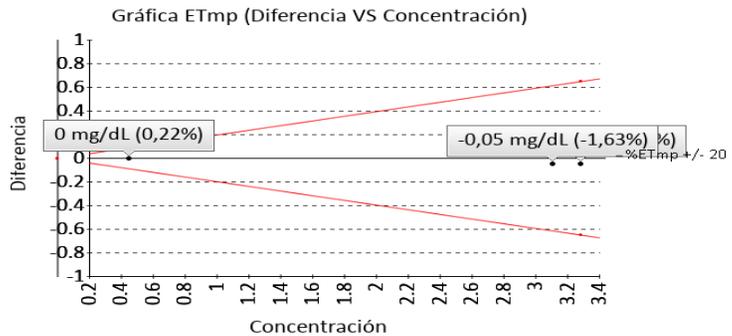
3.11 mg/dL

Calculado

20% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 3.060 | N/A | N/A | N/A | -1,63 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 3,38 | 0,22 | 3674 | 2,94 a 3,82 | -7,99 | -1,24 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 3,48 | 0,32 | 4 | 2,84 a 4,13 | -10,7 | -1,15 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 3,11 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Calcio

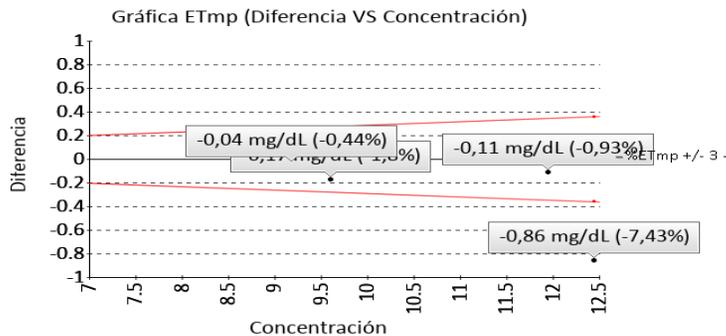
11.95 mg/dL

Arsenazo III

3% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 11.840 | N/A | N/A | N/A | -0,93 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 11,95 | 0,35 | 73372 | 11,25 a 12,65 | 0 | 0 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 11,7 | 0,47 | 3 | 10,76 a 12,65 | 2,11 | 0,52 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 11,95 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



CK (Creatine Kinase)

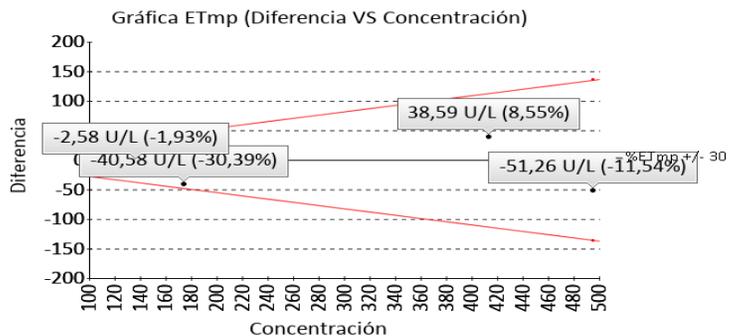
413 U/L

NAC Activated - IFCC REF

30% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 451.590 | N/A | N/A | N/A | 8,55 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 442,9 | 21,07 | 35292 | 400,76 a 485,04 | -6,75 | -1,42 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 413 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 413 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Cloro

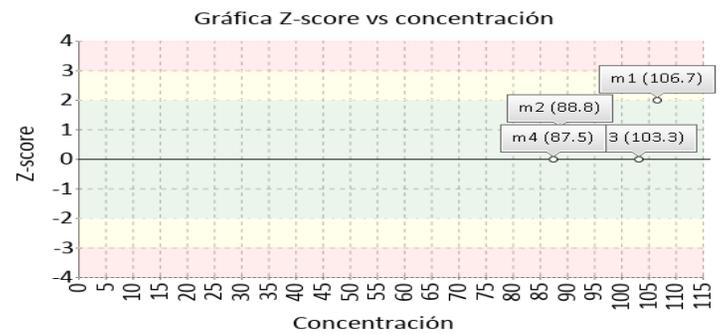
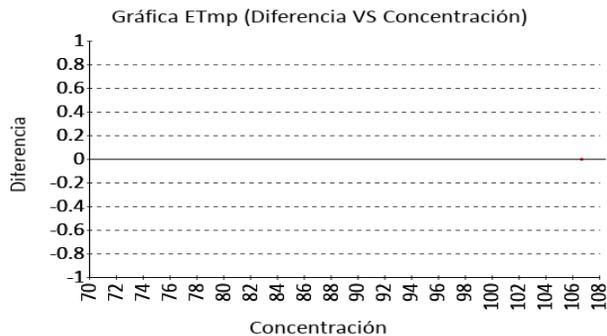
87.5 mmol/L

ISE direct

5% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 84,9 | 4,58 | 28027 | 75,74 a 94,06 | 3,06 | 0,57 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 87,93 | 4,07 | 3 | 79,8 a 96,07 | -0,49 | -0,11 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 85,8 | 2,4 | 2 | 80,99 a 90,61 | 1,98 | 0,71 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Colesterol HDL

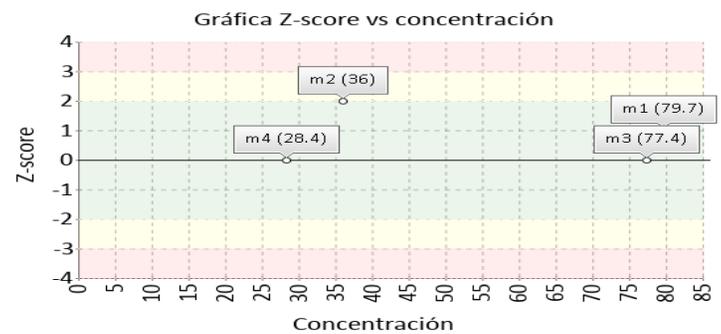
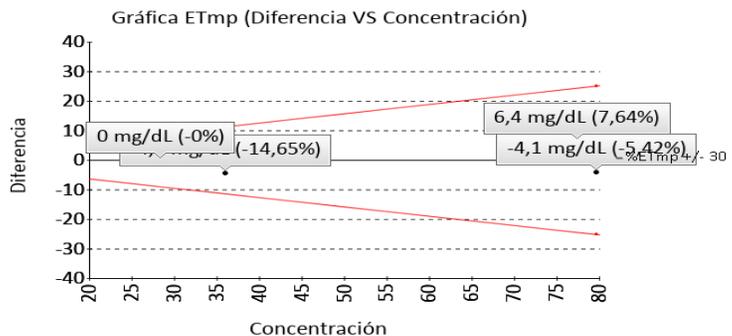
28.4 mg/dL

Direct measure

30% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 28,400 | N/A | N/A | N/A | 0 | N/A | Satisfactorio |
| Media de inserto | 26,4 | 3,3 | N/A | 19,8 a 33 | 7,58 | 0,61 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 23,17 | 3,69 | 12 | 15,79 a 30,56 | 22,55 | 1,42 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 28,7 | 0,42 | 2 | 27,85 a 29,55 | -1,05 | -0,71 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Colesterol LDL

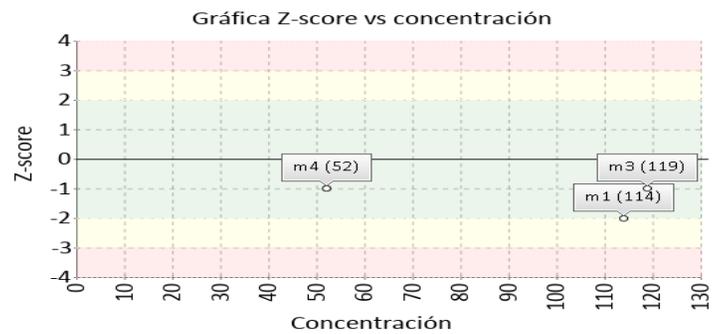
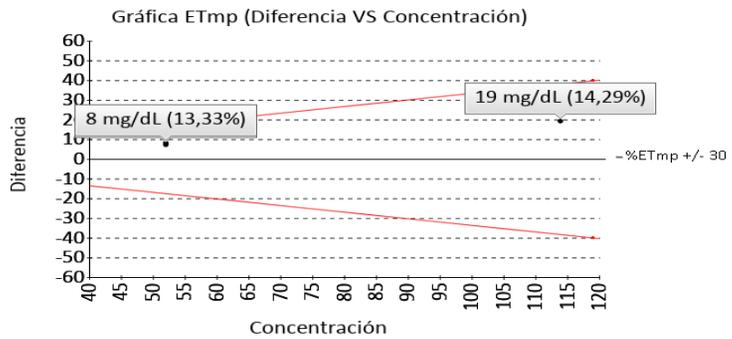
52 mg/dL

Direct measure

30% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 60.000 | N/A | N/A | N/A | 13,33 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 60,88 | 6,23 | 74534 | 48,42 a 73,34 | -14,59 | -1,43 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 56,15 | 5,87 | 2 | 44,41 a 67,89 | -7,39 | -0,71 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 56,15 | 5,87 | 2 | 44,41 a 67,89 | -7,39 | -0,71 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Colesterol Total

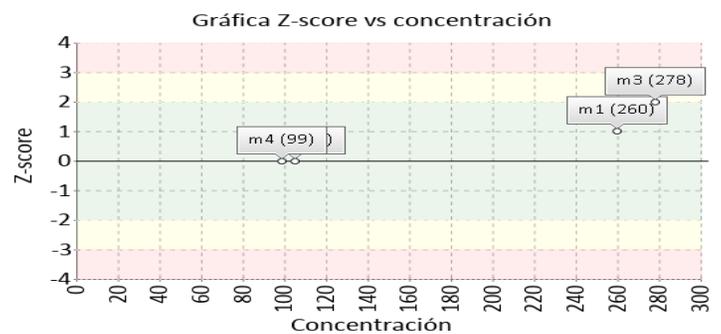
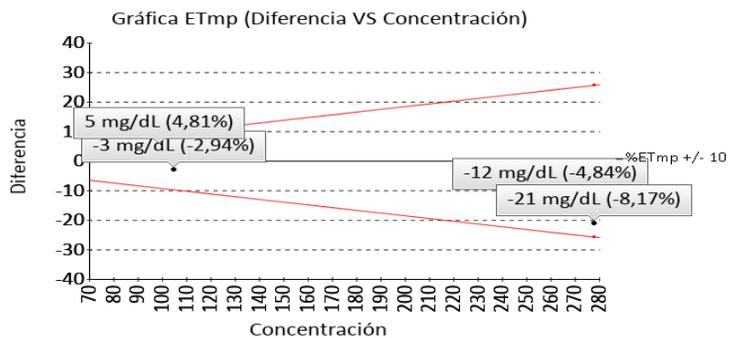
99 mg/dL

Colesterol oxidasa, esterasa, peroxidasa

10% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|--------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 104.000 | N/A | N/A | N/A | 4,81 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 102,8 | 4,7 | 154000 | 93,4 a 112,2 | -3,7 | -0,81 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 104,75 | 9,76 | 13 | 85,24 a 124,26 | -5,49 | -0,59 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 105,25 | 14,22 | 4 | 76,81 a 133,69 | -5,94 | -0,44 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



| | |
|-----------------------------|---------------------|
| Identificación Laboratorio: | 100184 |
| Ronda: | 42 |
| Muestra: | 4 |
| Código Muestra: | AB2630 |
| Fecha reporte: | 2022-10-03 |
| Estado: | Evaluación original |

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Creatinina

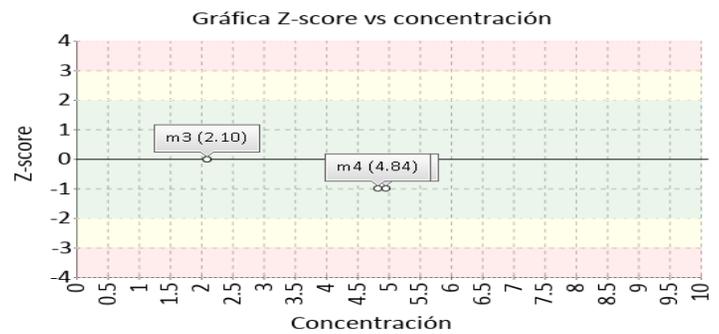
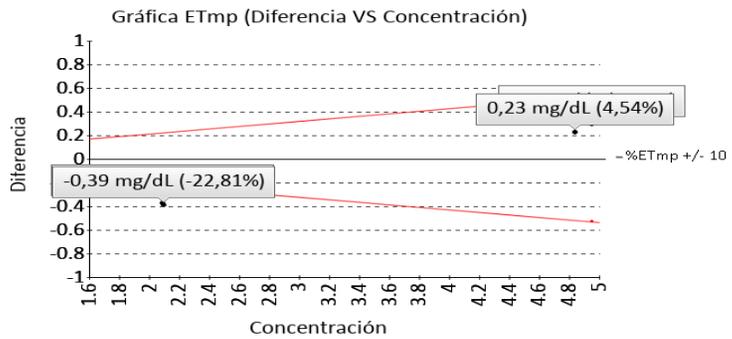
4.84 mg/dL

Alkaline picrate method

10% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 5.070 | N/A | N/A | N/A | 4,54 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 5,48 | 0,4 | 16700 | 4,67 a 6,29 | -11,68 | -1,59 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 5,46 | 0,49 | 12 | 4,49 a 6,43 | -11,31 | -1,27 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 4,84 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Fosfatasa Alcalina

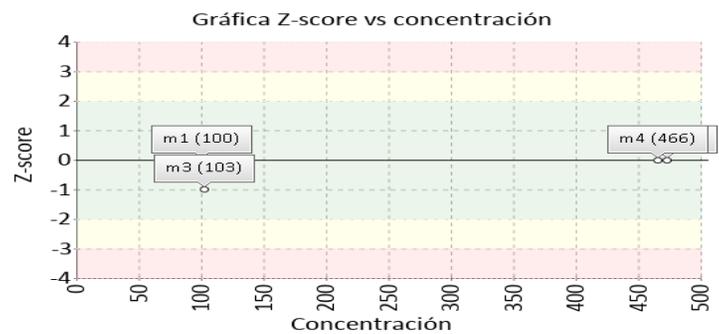
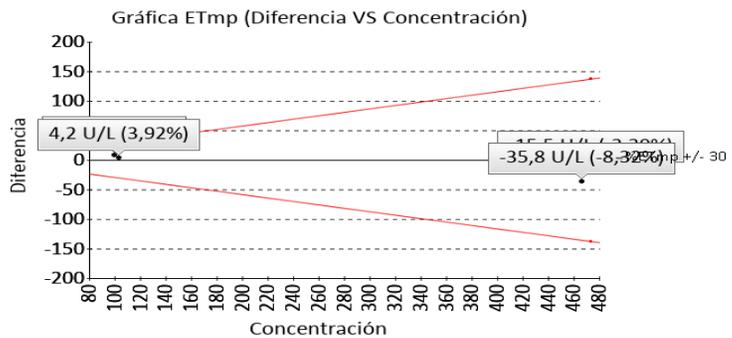
466 U/L

PNPP, AMP Buffer

30% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 430.200 | N/A | N/A | N/A | -8,32 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 427,5 | 42,55 | 22865 | 342,4 a 512,6 | 9,01 | 0,9 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 408,3 | 106,89 | 6 | 194,52 a 622,07 | 14,13 | 0,54 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 447,7 | 100,28 | 4 | 247,14 a 648,26 | 4,09 | 0,18 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Fósforo

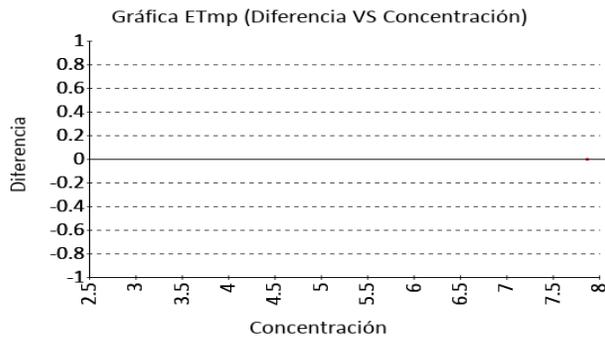
7.72 mg/dL

Phosphomolybdate-UV

10.7% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|--------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 7,34 | 0,29 | 254000 | 6,76 a 7,92 | 5,18 | 1,3 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 7,56 | 0,23 | 2 | 7,09 a 8,02 | 2,18 | 0,71 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 7,72 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Gamma glutamiltransferasa (GGT)

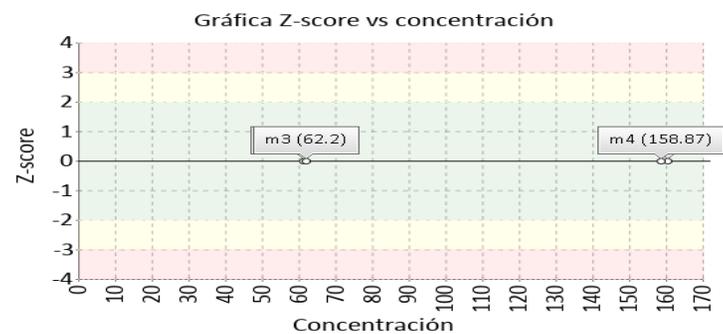
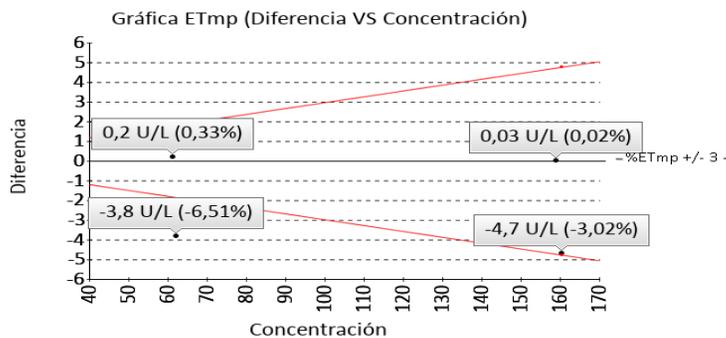
158.87 U/L

G-Glutamin- Carboxy - Nitroanilida
IFCC - Ref, proc., Calibrado

3% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 158.900 | N/A | N/A | N/A | 0,02 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 160,4 | 7,92 | 42531 | 144,56 a 176,24 | -0,95 | -0,19 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 158,87 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 158,87 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



| | |
|-----------------------------|---------------------|
| Identificación Laboratorio: | 100184 |
| Ronda: | 42 |
| Muestra: | 4 |
| Código Muestra: | AB2630 |
| Fecha reporte: | 2022-10-03 |
| Estado: | Evaluación original |

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Glucosa

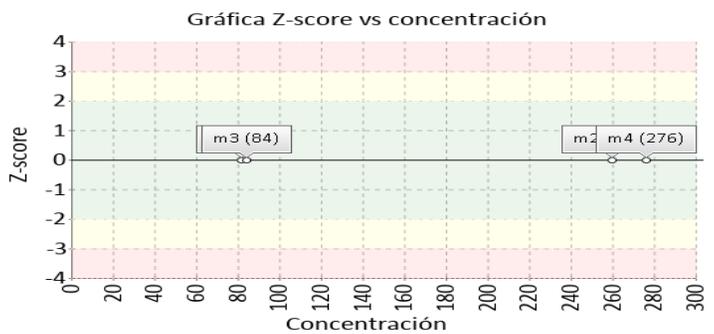
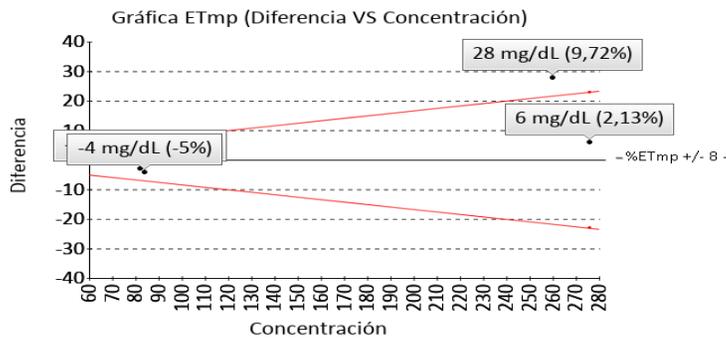
276 mg/dL

Glucose oxidase, hydrogen peroxide (Trinder)

8% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 282,000 | N/A | N/A | N/A | 2,13 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 267,6 | 10,64 | 32363 | 246,32 a 288,88 | 3,14 | 0,79 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 266,06 | 12,01 | 12 | 242,04 a 290,09 | 3,73 | 0,83 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 269,33 | 6,51 | 3 | 256,32 a 282,35 | 2,48 | 1,02 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Hierro

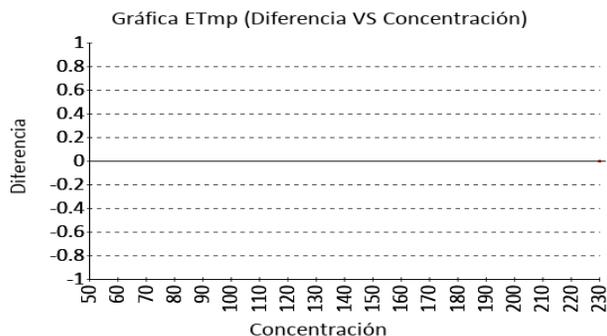
66 ug/dL

Ferrozine-deproteinization

20% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 67,46 | 4,19 | 368 | 59,08 a 75,84 | -2,16 | -0,35 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 66 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 66 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

LD (Lactato Deshidrogenasa)

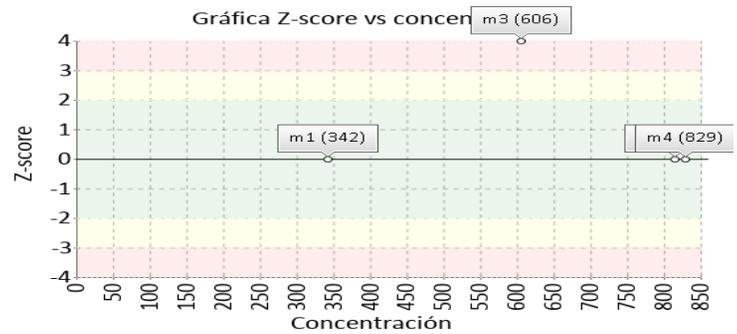
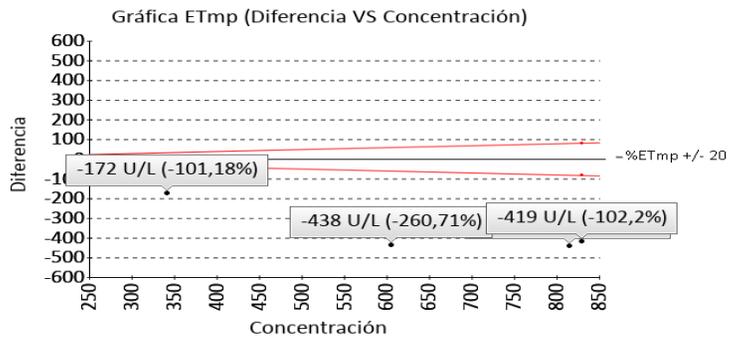
829 U/L

Pyruvate to lactate

20% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|------------------|---------------|-----------|------------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 410.000 | N/A | N/A | N/A | -102,2 | N/A | No satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 849,3 | 71,89 | 9967 | 705,52 a 993,08 | -2,39 | -0,28 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 568,84 | 230,52 | 3 | 107,79 a 1029,88 | 45,74 | 1,13 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 829 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Magnesio

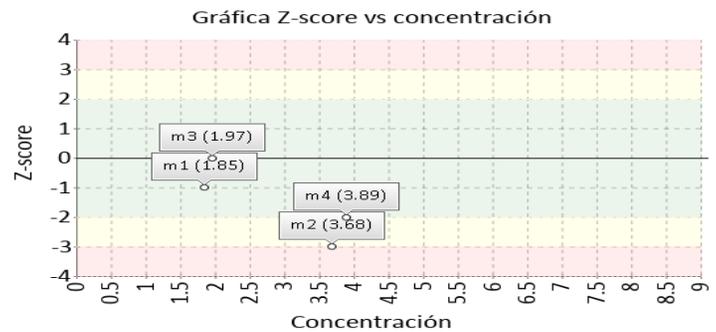
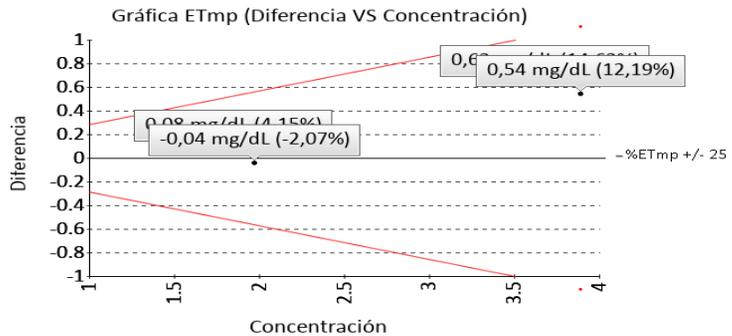
3.89 mg/dL

Xylidyl blue

25% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | 4.430 | N/A | N/A | N/A | 12,19 | N/A | Satisfactorio |
| Media de comparación internacional | 4,34 | 0,19 | 68074 | 3,97 a 4,71 | -10,37 | -2,43 | Alarma |
| Todos los participantes de QAP | 4,19 | 0,42 | 2 | 3,34 a 5,04 | -7,16 | -0,71 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 3,89 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Nitrógeno Uréico

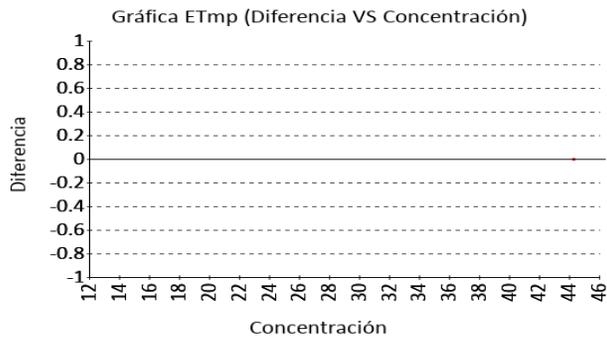
43.9 mg/dL

Urease, UV

9% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 47,12 | 3,49 | 28379 | 40,14 a 54,1 | -6,83 | -0,92 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 43,12 | 3,27 | 5 | 36,58 a 49,66 | 1,81 | 0,24 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 43,4 | 3,71 | 4 | 35,98 a 50,82 | 1,15 | 0,13 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Potasio

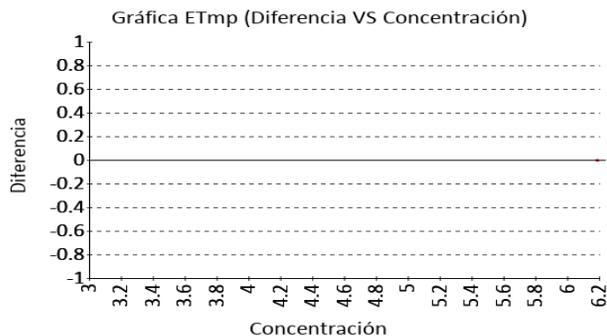
5.80 mmol/L

ISE direct

0.5% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 5,98 | 0,2 | 31278 | 5,58 a 6,38 | -3,01 | -0,9 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 5,93 | 0,13 | 3 | 5,68 a 6,18 | -2,19 | -1,04 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 5,87 | 0,1 | 2 | 5,67 a 6,07 | -1,19 | -0,71 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Proteínas totales

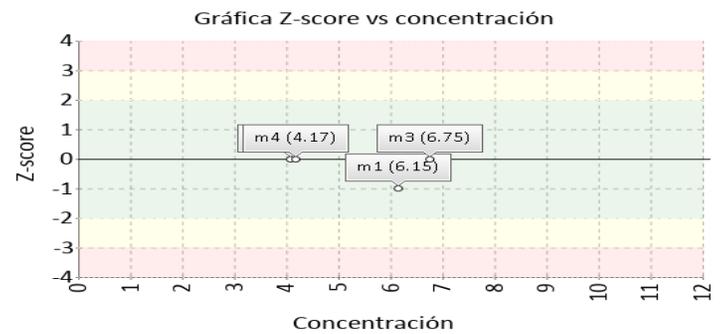
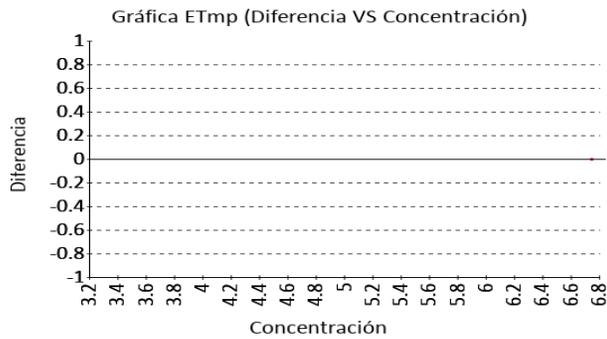
4.17 g/dL

Biuret

8% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 4,42 | 0,34 | 998 | 3,74 a 5,1 | -5,66 | -0,74 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 4,12 | 0,41 | 3 | 3,29 a 4,94 | 1,3 | 0,13 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 4,34 | 0,23 | 2 | 3,87 a 4,8 | -3,81 | -0,71 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Sodio

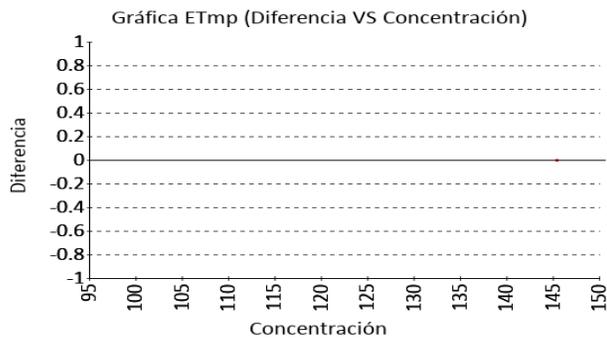
123.5 mmol/L

ISE direct

4% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 125,3 | 2,95 | 31160 | 119,4 a 131,2 | -1,44 | -0,61 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 124,6 | 0,98 | 3 | 122,63 a 126,57 | -0,88 | -1,12 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 124,45 | 1,34 | 2 | 121,76 a 127,14 | -0,76 | -0,71 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



| | |
|-----------------------------|---------------------|
| Identificación Laboratorio: | 100184 |
| Ronda: | 42 |
| Muestra: | 4 |
| Código Muestra: | AB2630 |
| Fecha reporte: | 2022-10-03 |
| Estado: | Evaluación original |

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON V.A.V (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Triglicéridos

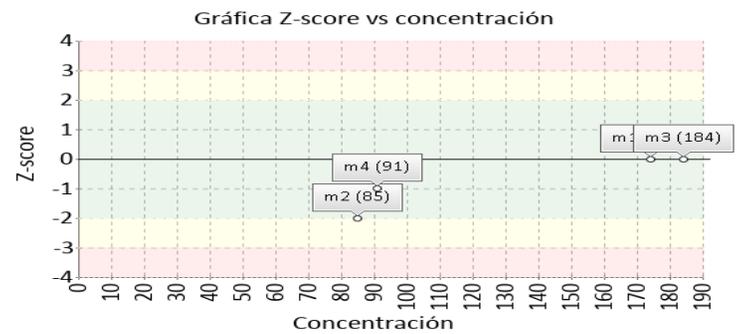
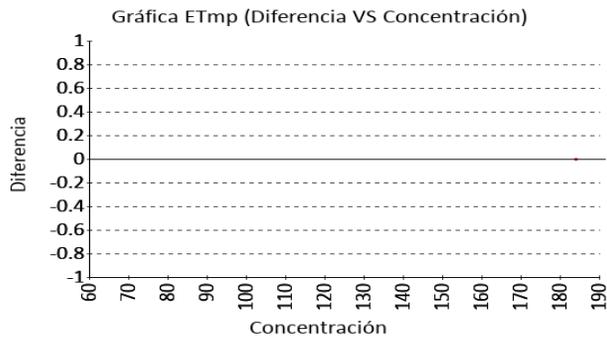
91 mg/dL

GPO-PAP

15% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|--------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 100,1 | 5,74 | 286000 | 88,62 a 111,58 | -9,09 | -1,59 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 101,87 | 6,58 | 13 | 88,7 a 115,03 | -10,67 | -1,65 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 91 | 0 | 1 | 0 a 0 | 0 | 0 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



Urea

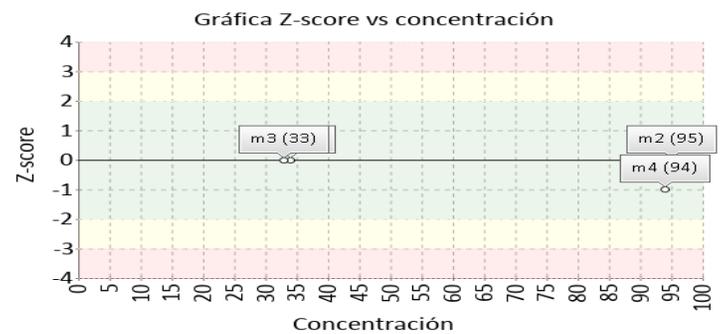
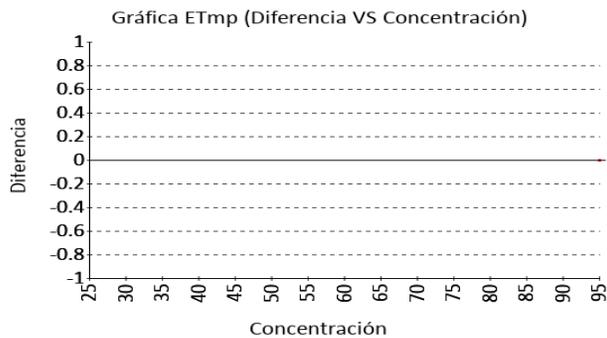
94 mg/dL

Urease, UV

9% ETmp

| 1 Fuente de comparación | 2 V.A.V. | 3 D.E. | 4 n/N | 5 Incertidumbre | 6 Diferencia% | 7 Z-score | 8 Valoración |
|-------------------------------------|----------|--------|-------|-----------------|---------------|-----------|---------------|
| RL-MMT-JCTLM ¹ | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A | N/A |
| Media de comparación internacional | 100,2 | 4,54 | 65875 | 91,12 a 109,28 | -6,19 | -1,37 | Satisfactorio |
| Todos los participantes de QAP | 91,92 | 1,91 | 3 | 88,1 a 95,74 | 2,27 | 1,09 | Satisfactorio |
| Participantes QAP misma metodología | 92,75 | 1,77 | 2 | 89,21 a 96,29 | 1,35 | 0,71 | Satisfactorio |

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM



5. INFORME DE TRAZABILIDAD METROLÓGICA

| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 |
|------|---------------------------------|------------|---|--|---|--|------------------------|
| Ítem | Mensurando | Analizador | Metodología declarada por el fabricante | Metodología de referencia avalada por el JCTLM | Material trazable declarado por el fabricante | Material de referencia avalado por el JCTLM | Estado de trazabilidad |
| 1 | Ácido Úrico | BA - 400 | Uricase, UV | 1 2 | No declarado | 115 116 112 117 113 114 | No trazable |
| 2 | Albúmina | BA - 400 | Bromcresol green (BCG) | 3 | No declarado | 10 9 | No trazable |
| 3 | ALT (ALAT/GPT) | BA - 400 | UV without P5P | 4 | No declarado | | No trazable |
| 4 | Amilasa | BA - 400 | CNP-triose/CNPG3 | 39 | No declarado | 11 | No trazable |
| 5 | AST (ASAT/GOT) | BA - 400 | UV without P5P | 40 | No declarado | 12 | No trazable |
| 6 | Bilirrubina Directa | BA - 400 | DPD | 104 | No declarado | | No trazable |
| 7 | Bilirrubina Total | BA - 400 | DPD | 6 7 | No declarado | | No trazable |
| 8 | Bilirrubina Indirecta | BA - 400 | Calculado | 105 | No declarado | | No trazable |
| 9 | Calcio | BA - 400 | Arsenazo III | 8 9 10 11 12 13 14 15 | No declarado | 15 17 13 16 14 18 | No trazable |
| 10 | CK (Creatine Kinase) | BA - 400 | NAC Activated - IFCC REF | 23 | No declarado | 39 | No trazable |
| 11 | Cloro | BA - 400 | ISE direct | 41 42 43 44 | No declarado | 21 20 22 23 24 | No trazable |
| 12 | Colesterol HDL | BA - 400 | Direct measure | 16 | No declarado | 66 | No trazable |
| 13 | Colesterol LDL | BA - 400 | Direct measure | 17 | No declarado | 70 | No trazable |
| 14 | Colesterol Total | BA - 400 | Colesterol oxidasa, esterasa, peroxidasa | 18 20 19 21 22 | No declarado | 25 100 30 101 31 29 28 27 26 | No trazable |
| 15 | Creatinina | BA - 400 | Alkaline picrate method | 26 24 25 27 28 | No declarado | 42 43 44 41 47 48 45 46 51 52 50 49 40 | No trazable |
| 16 | Fosfatasa Alcalina | BA - 400 | PNPP, AMP Buffer | 31 | No declarado | | No trazable |
| 17 | Fósforo | BA - 400 | Phosphomolybdate-UV | | No declarado | | No trazable |
| 18 | Gamma glutamiltransferasa (GGT) | BA - 400 | G-Glutamin- Carboxy - Nitroanilida IFCC - Ref, proc., Calibrado | 32 | No declarado | 65 | No trazable |
| 19 | Glucosa | BA - 400 | Glucose oxidase, hydrogen peroxide (Trinder) | 33 34 35 36 | No declarado | 60 62 61 63 64 | No trazable |
| 20 | Hierro | BA - 400 | Ferrozine-deproteinization | | No declarado | | No trazable |
| 21 | LD (Lactato Deshidrogenasa) | BA - 400 | Pyruvate to lactate | | No declarado | 129 | No trazable |
| 22 | Magnesio | BA - 400 | Xylidyl blue | 80 81 | No declarado | 72 74 71 73 76 75 | No trazable |
| 23 | Nitrógeno Uréico | BA - 400 | Urease, UV | | No declarado | | No trazable |
| 24 | Potasio | BA - 400 | ISE direct | 60 61 62 63 64 65 | No declarado | 84 85 82 80 81 83 86 | No trazable |
| 25 | Proteínas totales | BA - 400 | Biuret | | No declarado | | No trazable |
| 26 | Sodio | BA - 400 | ISE direct | 68 69 70 71 72 73 | No declarado | 94 95 92 90 91 93 96 | No trazable |
| 27 | Triglicéridos | BA - 400 | GPO-PAP | 77 78 | No declarado | 106 104 105 | No trazable |
| 28 | Urea | BA - 400 | Urease, UV | 79 | No declarado | 108 110 111 107 109 | No trazable |

Nomenclatura método

1: ID/GC/MS 2: ID/LC/MS, ID/LC/MS/MS 3: Optimized immunoturbidimetry/ immunonephelometry 4: Kinetic spectrophotometry 39: Kinetic spectrophotometry 40: Kinetic spectrophotometry 104: Spectrophotometry 6: Absorption spectrometry 7: Spectrophotometry 105: Spectrophotometry 8: Atomic absorption 9: FAAS 10: ICP-OES 11: ID/ICP-MS 12:

Nomenclatura método

IDMS **13**: Inductively Coupled Plasma-(Isotope Dilution) Sector Field Mass Spectrometry (ICP-(ID) SFMS) **14**: Ion chromatography **15**: Isotope dilution ICP-MS **23**: Kinetic spectrophotometry **41**: Coulometric titration **42**: Coulometry **43**: ID/TIMS **44**: Inductively Coupled Plasma-(Isotope Dilution) Sector Field Mass Spectrometry (ICP-(ID) SFMS) **16**: Ultracentrifugation removes VLDL, d 1.006, preventing interference (TG) with the heparin/Mn2+ precipitation step for removal of non-HDL. HDL cholesterol is spectrophotometric. **17**: Ultracentrifugation removes VLDL, d 1.006, preventing interference (TG) with the heparin/Mn2+ precipitation step for removal of non-HDL. HDLC quantitation is spectrophotometric. **18**: HPLC **20**: ID-LC/MS/MS **19**: ID/GC/MS **21**: Isotope dilution LCMS **22**: Spectrophotometry **26**: ID-LC/MS **24**: ID/GC/MS **25**: ID/LC/MS, ID/LC/MS/MS **27**: Isotope dilution LCMS **28**: Isotope dilution surface enhanced Raman scattering (ID/SERS) **31**: kinetic spectrophotometry **32**: Kinetic spectrophotometry **33**: Enzymatic **34**: ID/GC/MS **35**: ID/LC/MS/MS **36**: Spectrophotometry **80**: ID/TIMS **81**: Inductively Coupled Plasma-(Isotope Dilution) Sector Field Mass Spectrometry (ICP-(ID) SFMS) Ion chromatography **60**: FAES **61**: Flame Atomic Emission Spectroscopy **62**: ID/ICP-MS **63**: IDMS **64**: Inductively Coupled Plasma-(Isotope Dilution) Sector Field Mass Spectrometry (ICP-(ID) SFMS) **65**: Ion chromatography **68**: FAES **69**: Flame Atomic Emission Spectroscopy **70**: Gravimetry **71**: ICP-MS **72**: Inductively Coupled Plasma-(Isotope Dilution) Sector Field Mass Spectrometry (ICP-(ID) SFMS) **73**: Ion chromatography **77**: ID/GC/MS **78**: Spectrophotometry **79**: ID/GC/MS

Nomenclatura materiales

115: GBW09202, uric acid **116**: HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum **112**: JCCLS021, Uric acid in human serum **117**: NMJ CRM 6008-a, uric acid **113**: SRM 909b, human serum **114**: SRM 913a, uric acid **10**: ERM-DA470k/IFCC, human serum **9**: NMJ CRM 6202-a, Human Serum Albumin **11**: IRMM/IFCC-456, -amylase **12**: ERM-AD457/IFCC, aspartate aminotransferase **15**: BCR-304, calcium, magnesium and lithium in human serum **17**: HRM-2002A, Potassium, Calcium and Sodium in Frozen Human Serum **13**: SRM 3109a, Calcium standard solution **16**: SRM 909b, human serum **14**: SRM 915b, Calcium carbonate (Clinical Standard) **18**: SRM 956c, Electrolytes in frozen human serum **39**: ERM-AD455/IFCC, creatine kinase MB **21**: JCCRM 111, electrolytes **20**: SRM 909b, human serum **22**: SRM 918b, Potassium Chloride (Clinical Standard) **23**: SRM 919b, Sodium Chloride (Clinical Standard) **24**: SRM 956c, Electrolytes in frozen human serum **66**: LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, total glycerides, HDL-cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum **70**: LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, total glycerides, HDL-cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum **25**: GBW09203b, cholesterol **100**: HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum Name of the reference material **30**: JCCRM 211, cholesterol **101**: LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, total glycerides, HDL cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum **31**: NMJ CRM 6001-a, Cholesterol **29**: SRM 1951b, lipids in frozen human serum **28**: SRM 1952a, cholesterol in human serum **27**: SRM 909b, human serum **26**: SRM 911c, Cholesterol **42**: BCR-573, creatinine in human serum **43**: BCR-574, creatinine in human serum **44**: BCR-575, creatinine in human serum **41**: DMR 263a, Frozen human serum **47**: ERM-DA250a **48**: ERM-DA251a **45**: ERM-DA252a **46**: ERM-DA253a **51**: HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum **52**: LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, total glycerides, HDL-cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum **50**: NMJ CRM 6005-a, Creatinine **49**: SRM 909b, human serum **40**: SRM 914a, creatinine **65**: ERM-AD452/IFCC, -glutamyltransferase **60**: DMR 263a, Frozen human serum **62**: HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum **61**: JCCRM521 **63**: LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, total glycerides, HDL-cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum **64**: NIM CRM GBW 10062, Purity of Glucose **129**: kinetic spectrophotometry **72**: BCR-304, calcium, magnesium and lithium in human serum **74**: DMR-62, Magnesium spectrometric solution **71**: SRM 3131a, Magnesium standard solution **73**: SRM 909b, human serum **76**: SRM 929a, Magnesium Gluconate **75**: SRM 956c, Electrolytes in frozen human serum **84**: DMR-57, Potassium spectrometric solution **85**: HRM-2002A, Potassium, Calcium and Sodium in Frozen Human Serum **82**: JCCRM 111, electrolytes **80**: SRM 3141a, Potassium standard solution **81**: SRM 909b, human serum **83**: SRM 918b, Potassium Chloride (Clinical Standard) **86**: SRM 956c, Electrolytes in frozen human serum **94**: DMR-56, Sodium spectrometric solution **95**: HRM-2002A, Potassium, Calcium and Sodium in Frozen Human Serum **92**: JCCRM 111, electrolytes **90**: SRM 3152a, Sodium standard solution **91**: SRM 909b, human serum **93**: SRM 919b, Sodium Chloride (Clinical Standard) **96**: SRM 956c, Electrolytes in frozen human serum **106**: JCCRM 223, lipids **104**: NMJ CRM 6009-a, Triolein **105**: SRM 909b, human serum **108**: GBW09201, urea **110**: HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum **111**: NMJ CRM 6006-a, Urea **107**: SRM 909b, human serum **109**: SRM 912a, urea (clinical standard)

| | |
|-----------------------------|---------------------|
| Identificación Laboratorio: | 100184 |
| Ronda: | 42 |
| Muestra: | 4 |
| Código Muestra: | AB2630 |
| Fecha reporte: | 2022-10-03 |
| Estado: | Evaluación original |

6. RESUMEN DE RONDA

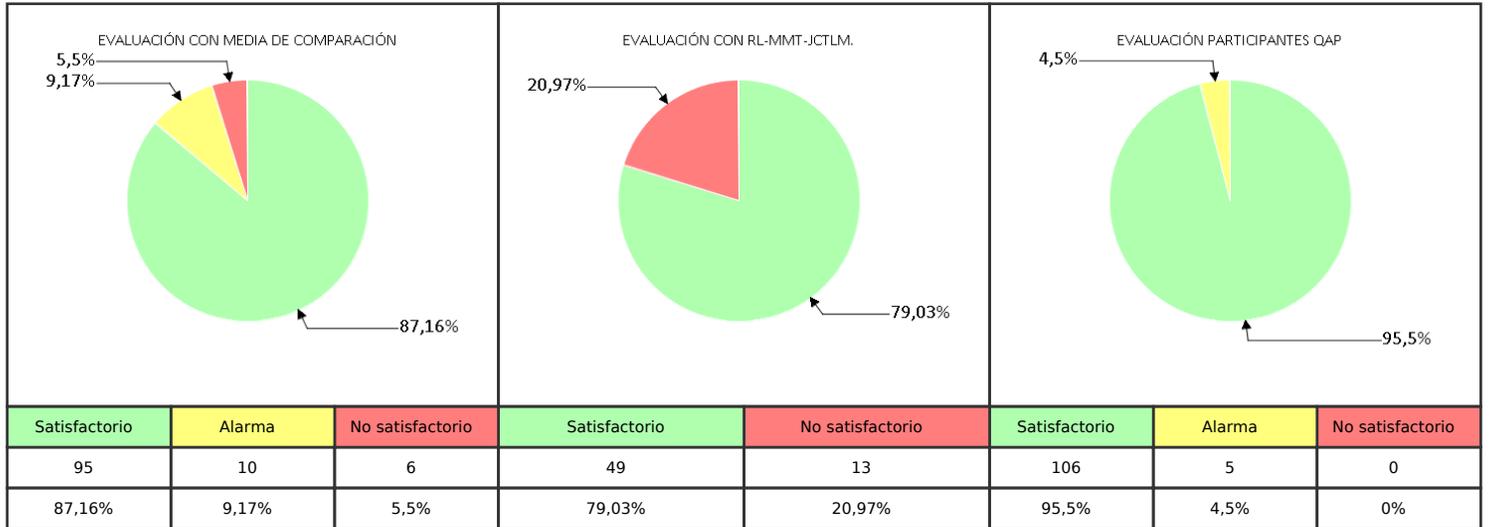
| Ítem | Mensurando | Muestra 1 | | | Muestra 2 | | | Muestra 3 | | | Muestra 4 | | | Muestra 5 | | | Muestra 6 | | |
|-----------------------|---------------------------------|-----------------------|---------|----------------------------|-----------------------|---------|----------------------------|-----------------------|---------|----------------------------|-----------------------|---------|----------------------------|-----------------------|---------|----------------------------|-----------------------|---------|----------------------------|
| | | Dif% con RL-MMT-JCTLM | Z-S WWR | Z Score particip antes QAP | Dif% con RL-MMT-JCTLM | Z-S WWR | Z Score particip antes QAP | Dif% con RL-MMT-JCTLM | Z-S WWR | Z Score particip antes QAP | Dif% con RL-MMT-JCTLM | Z-S WWR | Z Score particip antes QAP | Dif% con RL-MMT-JCTLM | Z-S WWR | Z Score particip antes QAP | Dif% con RL-MMT-JCTLM | Z-S WWR | Z Score particip antes QAP |
| 1 | Ácido Úrico | N/A | -0,89 | -0,6 | N/A | -1,92 | -0,47 | N/A | 0,61 | -0,12 | N/A | -1,13 | 0,18 | | | | | | |
| 2 | Albumina | 5,24 | 1 | 0,42 | 5,93 | 0,76 | 0,42 | 5,24 | 0,5 | -1,23 | 1,85 | 0,14 | -0,33 | | | | | | |
| 3 | ALT (ALAT/GPT) | N/A | 2,13 | 1,17 | N/A | 1,58 | 1,43 | N/A | 3,08 | 0,53 | N/A | 0,44 | 0,41 | | | | | | |
| 4 | Amilasa | -10,26 | -0,29 | 0,25 | 1,58 | -0,28 | -0,06 | -6,49 | -0,23 | -0,28 | -0,24 | 1,81 | -0,22 | | | | | | |
| 5 | AST (ASAT/GOT) | N/A | 2,42 | 1,7 | N/A | 4,12 | 2,65 | N/A | 1,31 | 0,31 | N/A | 1,47 | 0,43 | | | | | | |
| 6 | Bilirrubina Directa | 8,91 | 3,04 | 0,34 | -27,12 | -2,22 | -0,91 | -16,19 | -1,49 | -0,44 | -23,07 | -1,37 | -0,01 | | | | | | |
| 7 | Bilirrubina Total | 4,4 | -1,11 | -0,31 | -5,84 | -1,43 | -0,51 | 5,48 | -0,96 | -0,3 | -5 | -0,86 | -0,34 | | | | | | |
| 8 | Bilirrubina Indirecta | -0,22 | -1,89 | -0,75 | 1,45 | -1,23 | -0,33 | N/A | N/A | N/A | 1,63 | -1,24 | -1,15 | | | | | | |
| 9 | Calcio | 1,8 | 0,36 | 0,51 | 7,43 | 1,74 | 1,59 | 0,44 | -0,69 | 0,42 | 0,93 | 0 | 0,52 | | | | | | |
| 10 | CK (Creatine Kinase) | 30,39 | 6,57 | 1,73 | 11,54 | 2,46 | 0,59 | 1,93 | 0,15 | 0,62 | -8,55 | -1,42 | 0 | | | | | | |
| 11 | Cloro | N/A | 2,23 | -0,04 | N/A | 1,49 | 0,11 | N/A | 0,64 | -0,49 | N/A | 0,57 | -0,11 | | | | | | |
| 12 | Colesterol HDL | 5,42 | 1,21 | 2,43 | 14,65 | 2,25 | 2,68 | -7,64 | -0,78 | 2,23 | 0 | 0,61 | 1,42 | | | | | | |
| 13 | Colesterol LDL | -14,29 | -2,08 | -0,75 | -11,86 | -1,71 | -0,33 | N/A | -1,15 | -1,24 | -13,33 | -1,43 | -0,71 | | | | | | |
| 14 | Colesterol Total | 4,84 | 1,3 | 1,77 | 2,94 | 0,75 | 0,5 | 8,17 | 2,13 | 1,22 | -4,81 | -0,81 | -0,59 | | | | | | |
| 15 | Creatinina | 21,51 | -0,84 | 0,61 | -5,71 | -1,48 | -1,09 | 22,81 | -0,45 | 0,59 | -4,54 | -1,59 | -1,27 | | | | | | |
| 16 | Fosfatasa Alcalina | -8,26 | -0,79 | -0,34 | 3,39 | 0,45 | -0,09 | -3,92 | -1,33 | -0,4 | 8,32 | 0,9 | 0,54 | | | | | | |
| 17 | Fósforo | N/A | -0,12 | -0,32 | N/A | 1,32 | 2,04 | N/A | -1,51 | -1,12 | N/A | 1,3 | 0,71 | | | | | | |
| 18 | Gamma glutamiltransferasa (GGT) | -0,33 | 0,03 | 0,61 | 3,02 | 0,32 | 0,19 | 6,51 | 0,61 | 1,1 | -0,02 | -0,19 | 0 | | | | | | |
| 19 | Glucosa | 3,8 | -0,89 | 0,59 | -9,72 | -0,83 | -0,89 | 5 | -0,43 | 0,84 | -2,13 | 0,79 | 0,83 | | | | | | |
| 20 | Hierro | N/A | -0,23 | -0,39 | N/A | -1,24 | -0,31 | N/A | -1,76 | -1,15 | N/A | -0,35 | 0 | | | | | | |
| 21 | LD (Lactato Deshidrogenasa) | 101,18 | 0,19 | 0,56 | 117,33 | 0,39 | 1,14 | 260,71 | 11,47 | 1,68 | 102,2 | -0,28 | 1,13 | | | | | | |
| 22 | Magnesio | -4,15 | -1,88 | -1,32 | -14,62 | -3,92 | -1,67 | 2,07 | -0,61 | 0,76 | -12,19 | -2,43 | -0,71 | | | | | | |
| 23 | Nitrógeno Uréico | N/A | 0,54 | 0,52 | N/A | -1,64 | 0,07 | N/A | -0,01 | -0,08 | N/A | -0,92 | 0,24 | | | | | | |
| 24 | Potasio | N/A | 0 | 0,77 | N/A | 0,34 | 0,36 | N/A | -0,44 | 0 | N/A | -0,9 | -1,04 | | | | | | |
| 25 | Proteínas totales | N/A | -1,37 | -0,24 | N/A | -0,51 | -0,23 | N/A | -0,23 | -0,3 | N/A | -0,74 | 0,13 | | | | | | |
| 26 | Sodio | N/A | 0,84 | 1,07 | N/A | 0,31 | 1,03 | N/A | 0,03 | 0,36 | N/A | -0,61 | -1,12 | | | | | | |
| 27 | Triglicéridos | N/A | -0,71 | -0,59 | N/A | -2,39 | -1,23 | N/A | -0,21 | -0,41 | N/A | -1,59 | -1,65 | | | | | | |
| 28 | Urea | N/A | 0,64 | 0,37 | N/A | -0,83 | 0,15 | N/A | 0,41 | -0,28 | N/A | -1,37 | 1,09 | | | | | | |
| Notificaciones | | 🔊 28 📄 0 📝 0 | | | 🔊 0 📄 0 📝 0 | | | 🔊 0 📄 1 📝 0 | | | 🔊 28 📄 0 📝 0 | | | 🔊 0 📄 0 📝 0 | | | 🔊 0 📄 0 📝 0 | | |

| | | | | | | | | |
|--|--|---|--|--|---------------|----------|-----------|--------------|
| V.A.V - La diferencia porcentual es inferior o igual al error total máximo permisible. | V.A.V - La diferencia porcentual es superior al error total máximo permisible. | Satisfactorio si su resultado está entre +/- 2 Z-score. | Alarma si su resultado está entre 2 y 3 Z-score. | No satisfactorio si su resultado es mayor a 3 Z-score. | N/A No aplica | 🔊 Tardío | 📄 Ausente | 📝 Revalorado |
|--|--|---|--|--|---------------|----------|-----------|--------------|

| | |
|-----------------------------|---------------------|
| Identificación Laboratorio: | 100184 |
| Ronda: | 42 |
| Muestra: | 4 |
| Código Muestra: | AB2630 |
| Fecha reporte: | 2022-10-03 |
| Estado: | Evaluación original |

7. INDICADORES DE COMPETENCIA TÉCNICA

7.1. DESEMPEÑO PARA LAS 4 MUESTRAS



| | |
|----------------|---------------|
| Observaciones: | Revisado por: |
| | |
| | Fecha: |

-- Final de reporte --

Aprobado por:
Aída Porras. Magister en Biología. Doctor in management.
Coordinadora programas QAP