



PROGRAMA DE ASEGURAMIENTO DE

CALIDAD

OAP-O - Química sanguínea

SIES SALUD

Correo electrónico: sarchilac@siessalud.com.co

Dirección: Calle 25g # 96b - 69 Ciudad: Bogotá Distrito Capital

País: Colombia

Contacto: Sergio Archila Teléfono: 3154891153

IDENTIFICACIÓN DEL LABORATORIO: 100206

Código de reporte: QAP-Q-100206-48-1

Ronda: 48 Muestra: 1

Código de la muestra: MJ2730

Tipo de muestra: Liofilizado -Suero humano

Fecha generación: 27 / junio / 2023



QAP-Q - Química sanguínea

Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

1. TÉRMINOS GENERALES

Confidencialidad:

Quik SAS es una organización certificada bajo los estándares internacionales de la ISO 9001:2015 ¹, ISO 14001:2015 ², ISO 45001:2018 ³ y en cumplimiento al numeral 4.10 de ISO 17043:2010 ⁴, garantiza la confidencialidad del presente reporte. La divulgación del presente informe se realizará únicamente al contacto autorizado por cada laboratorio. En caso de que la autoridad competente requiera información contenida en los reportes, será comunicado al participante involucrado con autorización expresa del mismo.

- (1) Sistema de gestión de calidad (SGC)
- (2) Sistema de gestión ambiental (SGA)
- (3) Sistema de gestión de seguridad y salud en el trabajo (SGSST)
- (4) Requisitos generales para los ensayos de aptitud

Homogeneidad y estabilidad:

Quik SAS certifica la homogeneidad y estabilidad suficiente de los ítems incluidos en los ensayos a través de una rigurosa selección de los materiales de cada programa, garantizando las condiciones adecuadas en la cadena de transporte y a través de verificaciones con métodos estadísticos.

Subcontrataciones:

La planificación, el diseño estadístico, la operación y la generación de los informes son realizados por Quik SAS. Los materiales utilizados para los programas de laboratorio clínico son contratados con Bio-Rad Laboratories Inc. y para los programas de patología anatómica con la fundación Santa Fé de Bogotá



QAP-Q - Química sanguínea

Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

2. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN

IT .	NOT	3 Mensurando	4 Analizador	5 Método	VRL	7 U-LAB	M-C	U-MC	DE-C	11 T-C	Zs	VAL	COMP
1	8	Ácido Úrico	Abbott Alinity C	Uricase, colorimetric	4.53	mg/dL	4,63	mg/dL	0,25	Acumulada	-0,39	Satisfactorio	Todos los laboratorios
2	8	Albúmina	Abbott Alinity C	Bromcresol green (BCG)	4.18	g/dL	4,14	g/dL	0,41	Inserto	0,1	Satisfactorio	Par
3	2	ALT (ALAT/GPT)	Abbott Alinity C	UV without P5P	26.6	U/L	24,93	U/L	2,17	Acumulada	0,77	Satisfactorio	Método
4	\$	Amilasa	Abbott Alinity C	CNP-triose/CNPG3	73.37	U/L	62,28	U/L	6,25	Mensual	1,77	Satisfactorio	Método
5	\$	AST (ASAT/GOT)	Abbott Alinity C	UV without P5P	46.9	U/L	42,64	U/L	2,82	Acumulada	1,51	Satisfactorio	Método
6	\$	Bilirrubina Directa	Abbott Alinity C	Diazotización	0.44	mg/dL	0,48	mg/dL	0,05	Inserto	-0,96	Satisfactorio	Par
7	\$	Bilirrubina Total	Abbott Alinity C	Ion Diazionium	1.0	mg/dL	1,18	mg/dL	0,15	Inserto	-1,24	Satisfactorio	Par
8	\$	Calcio	Abbott Alinity C	Arsenazo III	10.82	mg/dL	10,53	mg/dL	0,39	Acumulada	0,74	Satisfactorio	Método
9	\$	CK (Creatine Kinase)	Abbott Alinity C	NAC Activado	141.5	U/L	141	U/L	9,5	Inserto	0,05	Satisfactorio	Par
10	\$	Cloro	Abbott Alinity C	ISE indirect	96.4	mmol/L	99,31	mmol/L	4,28	Acumulada	-0,68	Satisfactorio	Método
11	2	Colesterol HDL	Abbott Alinity C	Direct measure, polymer- polyanion	85.7	mg/dL	85,95	mg/dL	6,74	Mensual	-0,04	Satisfactorio	Método
12	\$	Colesterol LDL	Abbott Alinity C	Direct measure	120	mg/dL	117,8	mg/dL	11,38	Acumulada	0,19	Satisfactorio	Método
13	\$	Colesterol Total	Abbott Alinity C	Cholesterol oxidase, esterase, peroxidase	259.7	mg/dL	252,1	mg/dL	7,78	Acumulada	0,98	Satisfactorio	Método
14	2	Creatinina	Abbott Alinity C	Enzymatic	1.7	mg/dL	1,78	mg/dL	0,1	Acumulada	-0,8	Satisfactorio	Método
15	Ξ	Fosfatasa Alcalina	Abbott Alinity C	PNPP, AMP Buffer – IFCC Ref. Proc., Calibrated	120.2	U/L	111,8	U/L	10,57	Acumulada	0,79	Satisfactorio	Método
16	2	Fósforo	Abbott Alinity C	Phosphomolybdate method	3.6	mg/dL	3,83	mg/dL	0,34	Acumulada	-0,67	Satisfactorio	Método
17	Ξ	Gamma glutamiltransferasa (GGT)	Abbott Alinity C	G-Glutamin- Carboxy - Nitroanilida	61.5	U/L	54,5	U/L	4,69	Acumulada	1,49	Satisfactorio	Método
18	2	Glucosa	Abbott Alinity C	Hexocinasa	79.6	mg/dL	81,9	mg/dL	3,28	Acumulada	-0,7	Satisfactorio	Método
19	2	Hierro	Abbott Alinity C	Ferrozine-no deproteinization	248.5	ug/dL	240,7	ug/dL	9,16	Acumulada	0,85	Satisfactorio	Método
20	2	LD (Lactato Deshidrogenasa)	Abbott Alinity C	Lactato to Piruvato- IFFC, Ref, proc., Calibrado	157.9	U/L	174,5	U/L	8,09	Acumulada	-2,05	Alarma	Método
21	2	Magnesio	Abbott Alinity C	Enzymatic	1.71	mg/dL	1,98	mg/dL	0,14	Inserto	-2	Alarma	Par
22	2	Nitrógeno Uréico	Abbott Alinity C	Urease, UV	15.1	mg/dL	15,56	mg/dL	1,24	Mensual	-0,37	Satisfactorio	Método
23	2	Potasio	Abbott Alinity C	ISE indirect	3.73	mmol/L	3,84	mmol/L	0,08	Acumulada	-1,47	Satisfactorio	Método
24	2	Proteínas totales	Abbott Alinity C	Biuret method	6.64	g/dL	6,77	g/dL	0,2	Inserto	-0,65	Satisfactorio	Método
25	\$	Sodio	Abbott Alinity C	ISE indirect	146.8	mmol/L	146,1	mmol/L	2,49	Acumulada	0,28	Satisfactorio	Método
26	\$	Triglicéridos	Abbott Alinity C	Enzymatic, end point	198	mg/dL	208,7	mg/dL	12,26	Acumulada	-0,87	Satisfactorio	Método

- 1	IT: Ítem	NOT: Notificaciones	VRL: Valor reportado por el laboratorio	U-LAB: Unidades de laboratorio	U-MC: Unidades Originales de la media
					de comparación



L	comparación	grupo de comparación	1-C. Tipo de consenso	25. 2-5core	VAL. Valoracion	COMP. Comparador
-						

	Satisfactorio si su resultado está entre +/- 2 Z-score.	Alarma si su resultado está entre 2 y 3 Z-score.	No satisfactorio si su resultado es mayor a 3 Z-score.	\$	×	
ı				Tardío	Ausente	Revalorado





QAP-Q - Química sanguínea

Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
	Evaluación original

3	B. EVALUACIÓN CON	VALOR	OBTENI	DO COI	N EL MÉTODO TR	AZABLE A MA	TERIAL Y/O	MÉTODO AV	ALADO POR EL JCT	LM
1 İtem	2 Mensurando	3 VRL	4 U-LAB	X _{nt}	6 U-X _{nt}	7 M-REF	8 D%	9 ETmp/APS	10 Límites aceptación	11 Valoración
				μ. ————————————————————————————————————	pt.				Bajo Alto	
	VRL: Valor re	eportado p	or el laborat	torio			U-Xpt: Unidad	es del valor acep	tado como verdadero	
	U-LAB: Unidades de labor	atorio			M-REF:Métod	de referencia		D ^o	% Diferencia porcentual %	
Satisfactorio: El resultado reportado por el laboratorio NO supera la diferencia porcentual del ETmp%/APS comparado con X _{pt}				ferencia porcentual del		Tmp%/APS máximo permisible		X _{pt} Valor aceptado como ver		



QAP-Q - Química sanguínea

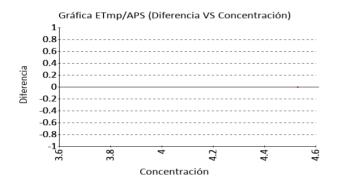
Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON X_{PT} (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Ácido Úrico	4.53 mg/dL	Abbott Alinity C	Uricase, colorimetric	CLIA	10
				2022	ETmp%/APS

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	4,63	0,25	7459	4,12 a 5,14	-2,16	-0,39	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	4,36	0,24	2	3,88 a 4,84	3,9	0,71	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	4,36	0,24	2	3,88 a 4,84	3,9	0,71	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





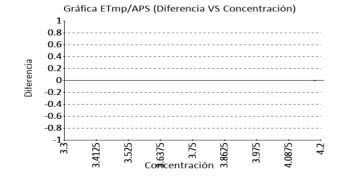
Albúmina

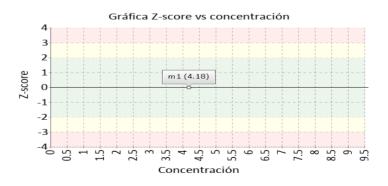
4.18 g/dL Abbott Alinity C

Bromcresol green (BCG)

CLIA 8 ETmp%/APS 2022

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de inserto	4,14	0,41	N/A	3,32 a 4,96	0,97	0,1	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	4,14	0,06	2	4,03 a 4,25	0,97	0,71	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	4,14	0,06	2	4,03 a 4,25	0,97	0,71	Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

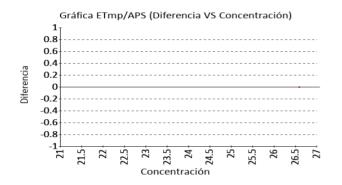
4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON X_{PT} (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

ALT (ALAT/GPT)	26.6 U/L	Abbott Alinity C	UV wi

26.6 U/L	Abbott Alinity C	UV without P5P	CLIA	20
			2022	ETmp%/APS

1	. 2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	24,93	2,17	4463	20,59 a 29,27	6,7	0,77	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	24,18	2,13	12	19,91 a 28,45	10	1,13	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	23,51	1,42	10	20,68 a 26,34	13,15	2,18	Alarma

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





Amilasa

73.37 U/L

Abbott Alinity C

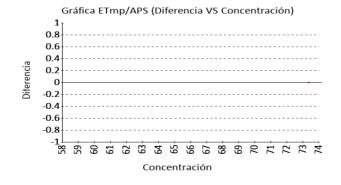
CNP-triose/CNPG3

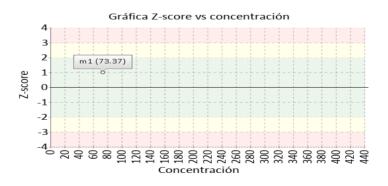
CLIA 2022

ETmp%/APS

20

5 Incertidumbre Fuente de comparación D.E. n/N Diferencia% Z-score Valoración X_{pt} RL-MMT-JCTLM³ N/A N/A Ν/Δ N/A N/A N/A N/A 49,78 a 74,78 Media de comparación internacional 62.28 6.25 960 17.81 1.77 Satisfactorio Todos los participantes de QAP 73,37 0 1 0 a 0 0 0 Satisfactorio Participantes QAP misma metodología 73,37 0 0 a 0 0 0 Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

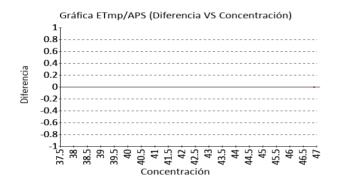
Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON XPT (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

AST (ASAT/GOT)	46.9 U/L	Abbott Alinity C	UV without P5P	CLIA	20
				2022	FTmn%/ΔPS

1	2	3	4	. 5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	42,64	2,82	4736	37 a 48,28	9,99	1,51	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	43,44	4,26	12	34,92 a 51,97	7,96	0,81	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	41,93	2,47	10	37 a 46,86	11,85	2,01	Alarma

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





Bilirrubina Directa

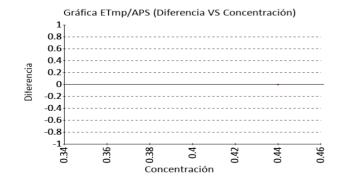
0.44 mg/dL

Abbott Alinity C

Diazotización

CLIA 2022 20 ETmp%/APS

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de inserto	0,48	0,05	N/A	0,39 a 0,57	-8,9	-0,96	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	0,47	0,04	2	0,39 a 0,55	-6,38	-0,71	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	0,47	0,04	2	0,39 a 0,55	-6,38	-0,71	Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

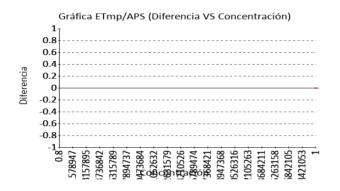
Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON X_{PT} (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Bilirrubina Total	1.0 mg/dL	Abbott Alinity C	Ion Diazionium	CLIA	20
				2022	ETmp%/APS

1	2	. 3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de inserto	1,18	0,15	N/A	0,89 a 1,47	-15,25	-1,24	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	0,91	0,16	3	0,6 a 1,22	9,89	0,58	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	1	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM

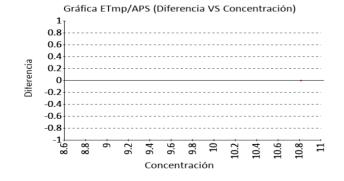




Calcio 10.82 mg/dL Abbott Alinity C Arsena

Arsenazo III CLIA 10 2022 ETmp%/APS

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	10,53	0,39	4335	9,75 a 11,31	2,75	0,74	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	10,82	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	10,82	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

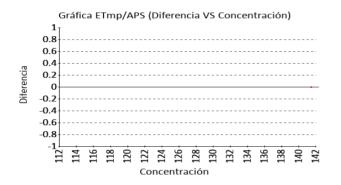
Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON X_{PT} (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

CK (Creatine Kinase)	141.5 U/L	Abbott Alinity C	NAC Activado	CLIA	20
				2022	ETmp%/APS

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de inserto	141	9,5	N/A	122 a 160	0,35	0,05	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	141,5	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	141,5	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





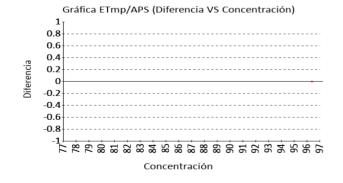
Cloro

96.4 mmol/L Abbott Alinity C

ISE indirect

CLIA 5 ETmp%/APS 2022

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	99,31	4,28	6601	90,75 a 107,87	-2,93	-0,68	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	96,4	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	96,4	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

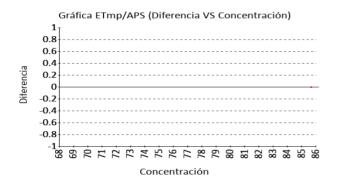
Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON X_{PT} (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Colesterol HDL	85.7 mg/dL	Abbott Alinity C	Direct measure, polymer-polyanion	CLIA 2022	30 ETmp%/APS
			porymer-poryamon	2022	LIIIIp/0/Ai 3

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	85,95	6,74	690	72,47 a 99,43	-0,29	-0,04	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	76,6	4,91	12	66,78 a 86,41	11,89	1,86	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	85,7	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





Colesterol LDL

120 mg/dL Abbott Alinity C

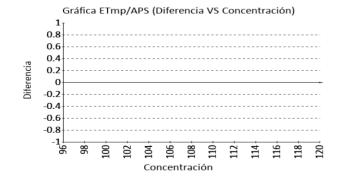
Direct measure

CLIA 2022

ETmp%/APS

30

5 Incertidumbre Fuente de comparación X_{pt} D.E. n/N Diferencia% Z-score Valoración RL-MMT-JCTLM1 N/A N/A Ν/Δ N/A N/A N/A N/A 95,04 a 140,56 Media de comparación internacional 117.8 11.38 4750 1.87 0.19 Satisfactorio Todos los participantes de QAP 120 0 1 0 a 0 0 0 Satisfactorio Participantes QAP misma metodología 120 0 0 a 0 0 0 Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

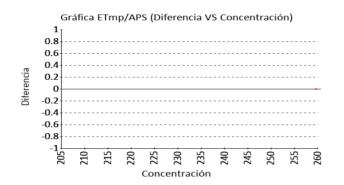
Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON XPT (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Colesterol Total	259.7 mg/dL	Abbott Alinity C	Cholesterol oxidase,	CLIA	10
			esterase, peroxidase	2022	ETmp%/APS

1	2	3	4		6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	252,1	7,78	8034	236,54 a 267,66	3,01	0,98	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	247,43	6,65	13	234,12 a 260,74	4,96	1,84	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	248,55	5,53	12	237,5 a 259,6	4,49	2,02	Alarma

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





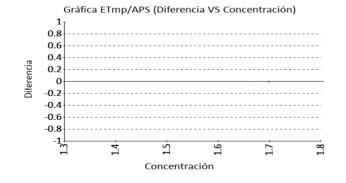
Creatinina

1.7 mg/dL Abbott Alinity C

Enzymatic CLIA

CLIA 10 2022 ETmp%/APS

5 Incertidumbre D.E. n/N Diferencia% Z-score Valoración Fuente de comparación RL-MMT-JCTLM³ N/A N/A Ν/Δ N/A N/A N/A N/A 1,58 a 1,98 Satisfactorio Media de comparación internacional 1.78 0.1 1787 -4.49 -0.8 Todos los participantes de QAP 1,75 0.11 12 1,53 a 1,96 -2,58 -0,42 Satisfactorio Participantes QAP misma metodología 1,7 0 0 a 0 0 0 Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON X_{PT} (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Fosfatasa Alcalina

120.2 U/L

Abbott Alinity C

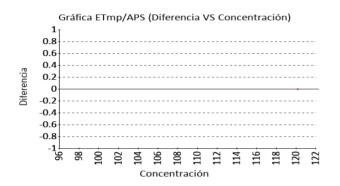
PNPP, AMP Buffer -IFCC Ref. Proc., Calibrated

CLIA 2022

20 ETmp%/APS

1 Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	111,8	10,57	3599	90,66 a 132,94	7,51	0,79	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	94,6	36,2	2	22,19 a 167,01	27,06	0,71	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	120,2	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





Fósforo

3.6 mg/dL

Abbott Alinity C

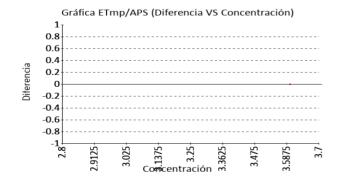
Phosphomolybdate

CLIA

10

method 2022 ETmp%/APS

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	3,83	0,34	5545	3,15 a 4,51	-6,01	-0,67	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	3,6	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	3,6	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON XPT (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Gamma glutamiltransferasa (GGT)

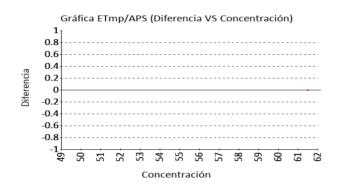
61.5 U/L

Abbott Alinity C G-Glutamin- Carboxy -Nitroanilida CLIA 2022

15 ETmp%/APS

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	54,5	4,69	3300	45,12 a 63,88	12,84	1,49	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	61,5	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	61,5	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





Glucosa

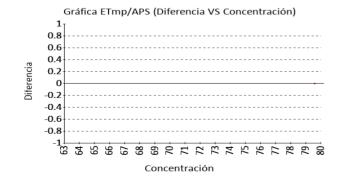
79.6 mg/dL

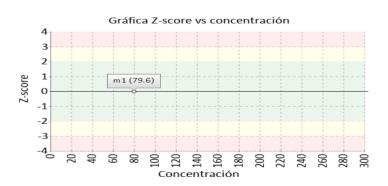
Abbott Alinity C

Hexocinasa

CLIA 8 ETmp%/APS 2022

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	81,9	3,28	7181	75,34 a 88,46	-2,81	-0,7	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	80,77	4,47	13	71,83 a 89,72	-1,45	-0,26	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	79,6	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

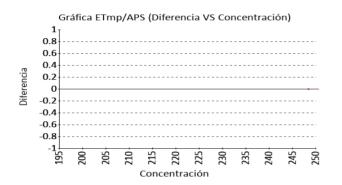
Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON XPT (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Hierro	248.5 ug/dL	Abbott Alinity C	Ferrozine-no	CLIA	15
			deproteinization	2022	ETmp%/APS

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	240,7	9,16	2478	222,38 a 259,02	3,24	0,85	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	248,5	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	248,5	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





LD (Lactato Deshidrogenasa)

157.9 U/L

Abbott Alinity C

Lactato to Piruvato-IFFC, Ref, proc.,

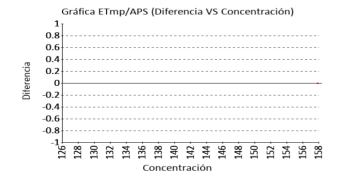
CLIA 2022 15 ETmp%/APS

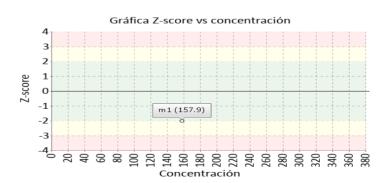
Calibrado

1 2 3 4 5 6 7 8

Fuente de comparación X_{pt} D.E. n/N Incertidumbre Diferencia% Z-score Valoración

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	174,5	8,09	1347	158,32 a 190,68	-9,51	-2,05	Alarma
Todos los participantes de QAP	157,9	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	157,9	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

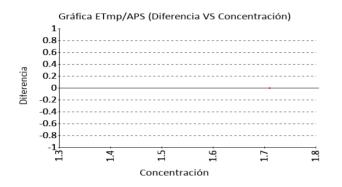
Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON XPT (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Magnesio	1.71 mg/dL	Abbott Alinity C	Enzymatic	CLIA	15
				2022	ETmp%/APS

1	2	3	4	. 5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de inserto	1,98	0,14	N/A	1,71 a 2,25	-13,64	-2	Alarma
Todos los participantes de QAP	1,71	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	1,71	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





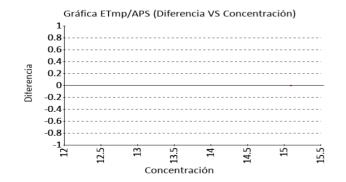
Nitrógeno Uréico

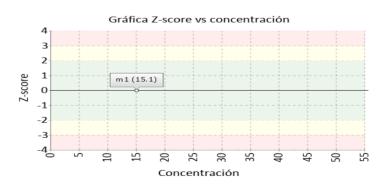
15.1 mg/dL Abbott Alinity C

Urease, UV

CLIA 9 ETmp%/APS 2022

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	15,56	1,24	1446	13,08 a 18,04	-2,96	-0,37	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	15,37	0,55	3	14,27 a 16,47	-1,74	-0,48	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	15,05	0,07	2	14,91 a 15,19	0,33	0,71	Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

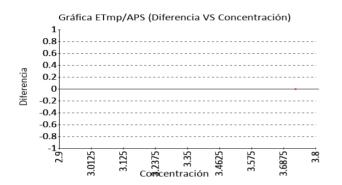
Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON X_{PT} (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Potasio	3.73 mmol/L	Abbott Alinity C	ISE indirect RILIBAK	8.5
			2022	ETmp%/APS

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	3,84	0,08	6653	3,69 a 3,99	-2,86	-1,47	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	3,73	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	3,73	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





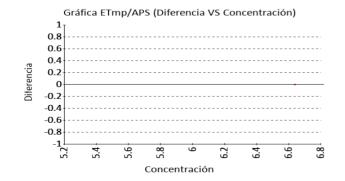
Proteínas totales

6.64 g/dL Abbott Alinity C

Biuret method

CLIA 8 ETmp%/APS 2022

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de inserto	6,77	0,2	N/A	6,37 a 7,17	-1,92	-0,65	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	6,64	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	6,64	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

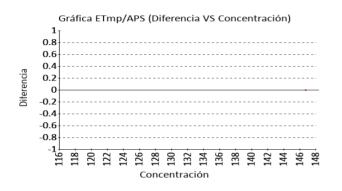
Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

4. EVALUACIÓN CON MEDIA DE COMPARACIÓN Y CON XPT (VALOR ACEPTADO COMO VERDADERO)

Sodio	146.8 mmol/L	Abbott Alinity C	ISE indirect	CLIA	4 ETmp%/APS
				2022	

1	2	3	4	5	6	7	8
Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	Incertidumbre	Diferencia%	Z-score	Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	146,1	2,49	6593	141,12 a 151,08	0,48	0,28	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	146,8	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio
Participantes QAP misma metodología	146,8	0	1	0 a 0	0	0	Satisfactorio

(1) RL-MMT-JCTLM: Resultado de laboratorio que trabaja con material y método trazable a los avalados por el JCTLM





Triglicéridos

198 mg/dL

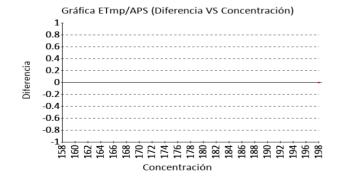
Abbott Alinity C Enzymatic, end point

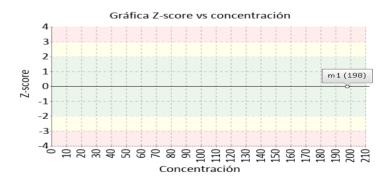
CLIA 2022

ETmp%/APS

15

1 Fuente de comparación	X _{pt}	D.E.	n/N	5 Incertidumbre	6 Diferencia%	7 Z-score	8 Valoración
RL-MMT-JCTLM ¹	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
Media de comparación internacional	208,7	12,26	6425	184,18 a 233,22	-5,13	-0,87	Satisfactorio
Todos los participantes de QAP	201,89	5,8	13	190,28 a 213,49	-1,93	-0,67	Satisfactorio
Participantes OAP misma metodología	206.3	7.35	3	191.59 a 221.01	-4.02	-1.13	Satisfactorio







QAP-Q - Química sanguínea

Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

5. INFORME DE TRAZABILIDAD METROLÓGICA

1 2 3 5 7 8 Metodología Metodología de Ítem Mensurando Analizado Material trazable Material de Estado de declarada por el referencia avalada declarado por el manufacturador referencia avalado trazabilidad manufacturador por el JCTLM por el JCTLM 1 2 1 Ácido Úrico Abbott Alinity C Uricase, colorimetrio No declarado 115 116 112 117 No trazable 113 114 3 10 9 2 Albúmina Abbott Alinity C Bromcresol green No declarado No trazable (BCG) 3 ALT (ALAT/GPT) Abbott Alinity C UV without P5P 4 No declarado No trazable Amilasa Abbott Alinity C CNP-triose/CNPG3 39 No declarado 11 No trazable 12 AST (ASAT/GOT) Abbott Alinity C UV without P5P 40 No declarado No trazable 6 Bilirrubina Directa Abbott Alinity C Diazotización 104 No declarado No trazable Bilirrubina Total Abbott Alinity C Ion Diazionium 6 7 No declarado No trazable 8 9 10 11 12 15 17 13 16 14 8 Calcio Abbott Alinity C Arsenazo III No declarado No trazable 9 CK (Creatine Kinase) Abbott Alinity C NAC Activado 23 No declarado 39 No trazable 10 Abbott Alinity C ISE indirect 41 42 43 44 21 20 22 23 24 No declarado No trazable Colesterol HDL Abbott Alinity C 11 Direct measure. 16 No declarado 66 No trazable polymer-polyanion Colesterol LDL Abbott Alinity C 12 Direct measure 17 No declarado 70 No trazable 13 Colesterol Total Abbott Alinity C Cholesterol oxidase, 18 20 19 21 22 No declarado 25 100 30 101 31 29 28 27 26 No trazable esterase, peroxidase 42 43 44 41 47 48 45 46 51 52 50 49 40 14 Creatinina Abbott Alinity C Enzymatic 26 24 25 27 28 No declarado No trazable 48 PNPP, AMP Buffer -15 Fosfatasa Alcalina Abbott Alinity C 31 No declarado No trazable IFCC Ref. Proc.. Abbott Alinity C Phosphomolybdate 16 Fósforo No declarado No trazable 17 Gamma Abbott Alinity C G-Glutamin- Carboxy -32 No declarado 65 No trazable glutamiltransferasa (GGT) Nitroanilida 18 Glucosa Abbott Alinity C Hexocinasa 33 34 35 36 No declarado 60 62 61 63 64 No trazable 19 Hierro Abbott Alinity C Ferrozine-no No declarado No trazable deproteinization LD (Lactato Abbott Alinity C Lactato to Piruvato No declarado 129 No trazable 20 Deshidrogenasa) IFFC. Ref. proc.. 72 74 71 73 76 21 Magnesio Abbott Alinity C Enzymatic 80 81 No declarado No trazable 22 Nitrógeno Uréico Abbott Alinity C Urease, UV No declarado No trazable 23 Abbott Alinity C ISE indirect 60 61 62 63 64 65 84 85 82 80 81 83 86 Potasio No declarado No trazable Proteínas totales Abbott Alinity C Biuret method No declarado No trazable 25 Abbott Alinity C ISE indirect 68 69 70 71 72 73 94 95 92 90 91 No trazable Sodio No declarado 93 96 26 Abbott Alinity C 77 78 106 104 105 Triglicéridos Enzymatic, end point No declarado No trazable

Nomenclatura método

1: ID/GC/MS 2: ID/LC/MS, ID/LC/MS/MS 3: Optimized immunoturbidimetry/ immunonephelometry 4: Kinetic spectrophotometry 39: Kinetic spectrophotometry 5: Spectrophotometry 104: Spectrophotometry 6: Absorption spectrometry 7: Spectrophotometry 8: Atomic absorption 9: FAAS 10: ICP-0ES 11: ID/ICP-MS 12: IDMS 13: Inductively Coupled Plasma-(Isotope Dilution) Sector Field Mass Spectrometry (ICP-(ID) SFMS) 14: Ion chromatography 15: Isotope dilution ICP-MS 23: Kinetic spectrophotometry 41: Coulometric titration 42: Coulometry 43: ID/TIMS 44: Inductively Coupled Plasma-(Isotope Dilution) Sector Field Mass Spectrometry (ICP-(ID) SFMS) 16: Ultracentrifugation removes VLDL, d 1.006, preventing interference (TG) with the heparin/Mn2+ precipitation step for removal of non-HDL. HDL cholesterol is spectrophotometric. 17: Ultracentrifugation removes VLDL, d 1.006,



Nomenclatura método

preventing interference (TG) with the heparin/Mn2+ precipitation step for removal of non-HDL. HDLC quantitation is spectrophotometric. 18: HPLC 20: ID-LC/MS/MS 19: ID/GC/MS 21: Isotope dilution LCMS 22: Spectrophotometry 26: ID-LC/MS 24: ID/GC/MS 25: ID/LC/MS, ID/LC/MS/MS 27: Isotope dilution LCMS 28: Isotope dilution surface enhanced Raman scattering (ID/SERS) 31: kinetic spectrophotometry 32: Kinetic spectrophotometry 32: Kinetic spectrophotometry 33: Enzymatic 34: ID/GC/MS 35: ID/LC/MS/MS 36: Spectrophotometry 80: ID/TIMS 81: Inductively Coupled Plasma-(Isotope Dilution) Sector Field Mass Spectrometry (ICP-(ID) SFMS) lon chromatography 60: FAES 61: Flame Atomic Emission Spectroscopy 62: ID/ICP-MS 63: IDMS 64: Inductively Coupled Plasma-(Isotope Dilution) Sector Field Mass Spectrometry (ICP-(ID) SFMS) 65: Ion chromatography 68: FAES 69: Flame Atomic Emission Spectroscopy 70: Gravimetry 71: ICP-MS 72: Inductively Coupled Plasma-(Isotope Dilution) Sector Field Mass Spectrometry (ICP-(ID) SFMS) 73: Ion chromatography 77: ID/GC/MS 78: Spectrophotometry

Nomenclatura materiales

115: GBW09202, uric acid 116: HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum 112: JCCLS021, Uric acid in human serum 117: NMIJ CRM 6008-a, uric acid 113: SRM 909b, human serum 114: SRM 913a, uric acid 10: ERM-DA470k/IFCC, human serum 9: NMIJ CRM 6202-a, Human Serum Albumin 11: IRMM/IFCC-456, anylase 12: ERM-DA457/IFCC, aspartate aminotransferase 15: BCR-304, calcium, magnesium and lithium in human serum 17: HRM-2002A, Potassium, Calcium and Sodium in Frozen Human Serum 13: SRM 3109a, Calcium standard solution 16: SRM 909b, human serum 14: SRM 915b, Calcium carbonate (Clinical Standard) 18: SRM 956c, Electrolytes in frozen human serum 39: ERM-AD455/IFCC, creatine kinase MB 21: JCCRM 111, electrolytes 0: SRM 909b, human serum 22: SRM 918b, Potassium Chloride (Clinical Standard) 24: SRM 965c, Electrolytes in frozen human serum 26: SRM 909b, human serum 26: SRM 918b, Potassium Chloride (Clinical Standard) 24: SRM 916b, 89 56c, Electrolytes in frozen human serum 27: LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, LDL-cholesterol, LDL-cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum 70: LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, LDL-cholesterol, LDL-cholesterol, LDL-cholesterol 101: LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, LDL-cholesterol in frozen human serum 31: NMIJ (CRM 6001-a, Cholesterol 101: LNE CRM Bio 101a, Glucose, creatinine, total cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum 31: NMIJ (CRM 6001-a, Cholesterol 29: SRM 1951b, lipids in frozen human serum 28: SRM 1952a, cholesterol in human serum 27: SRM 909b, human serum 26: SRM 911c, Cholesterol 42: BCR-573, creatinine in human serum 47: BRM-DA252a 46: ERM-DA253a 51: HRM-3002A, Creatinine, Glucose, Total Cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum 40: SRM 914a, creatinine, GLucose, Total Cholesterol, total glycerides, HDL-cholesterol, LDL-cholesterol, Urea, and Uric Acid in Frozen Human Serum 40: SRM 914a, creatinine, GLucose, Creatinine, GLucose,





QAP-Q - Química sanguínea

Identificación Laboratorio:	100206
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

6. RESUMEN DE RONDA

Ítem	Mensurando		Muestra :	1	M	Muestra 2 Muestra			luestra 3	3	Muestra 4			M	luestra !	5	Muestra 6			
		Dif% con RL-MMT- JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	Dif% con RL-MMT- JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	Dif% con RL-MMT- JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	Dif% con RL-MMT- JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	Dif% con RL-MMT- JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	Dif% con RL-MMT- JCTLM	Z-S WWR	Z Score particip antes QAP	
1	Ácido Úrico	N/A	-0,39	0,71									-							
2	Albúmina	N/A	0,1	0,71																
3	ALT (ALAT/GPT)	N/A	0,77	1,13																
4	Amilasa	N/A	1,77	0																
5	AST (ASAT/GOT)	N/A	1,51	0,81																
6	Bilirrubina Directa	N/A	-0,96	-0,71																
7	Bilirrubina Total	N/A	-1,24	0,58																
8	Calcio	N/A	0,74	0																
9	CK (Creatine Kinase)	N/A	0,05	0																
10	Cloro	N/A	-0,68	0																
11	Colesterol HDL	N/A	-0,04	1,86																
12	Colesterol LDL	N/A	0,19	0																
13	Colesterol Total	N/A	0,98	1,84																
14	Creatinina	N/A	-0,8	-0,42																
15	Fosfatasa Alcalina	N/A	0,79	0,71																
16	Fósforo	N/A	-0,67	0																
17	Gamma glutamiltransferasa (GGT)	N/A	1,49	0																
18	Glucosa	N/A	-0,7	-0,26																
19	Hierro	N/A	0,85	0																
20	LD (Lactato Deshidrogenasa)	N/A	-2,05	0																
21	Magnesio	N/A	-2	0																
22	Nitrógeno Uréico	N/A	-0,37	-0,48																
23	Potasio	N/A	-1,47	0																
24	Proteínas totales	N/A	-0,65	0																
25	Sodio	N/A	0,28	0																
26	Triglicéridos	N/A	-0,87	-0,67																
No	tificaciones	2 2	26 🗵 0 🌶	۰ 0	≅ () ⊠ 0 ∕	0	2	0 🗵 0 🥒	0	2	0 🗵 0 🥖	0	\$ () ⊠ 0 ∕	0	2 () ⊠ 0 ∕	0	
							-			-			-			-			-	

máximo permisible.		X _{pt} - La diferencia porcentual es inferior o igual al error total máximo permisible.	X _{pt} - La diferencia porcentual es superior al error total máximo permisible.	Satisfactorio si su resultado está entre +/- 2 Z-score.	Alarma si su resultado está entre 2 y 3 Z-score.	No satisfactorio si su resultado es mayor a 3 Z-score.	N/A No aplica	Tardío	Ausente	Revalorado
--------------------	--	---	---	---	--	--	----------------------	--------	---------	------------



QAP-Q - Química sanguínea

Identificación	100206
Laboratorio:	
Ronda:	48
Muestra:	1
Código Muestra:	MJ2730
Fecha reporte:	2023-06-06
Estado:	Evaluación original

7. INDICADORES DE COMPETENCIA TÉCNICA

7.1. DESEMPEÑO PARA LA MUESTRA 1



Observaciones:	Revisado por:
	Fecha:

-- Final de reporte --

W3 ranne Conzález A

Aprobado por: "9gdYWJU]gHJ'XY'5d`]WWJicbYg" """Dfc[fUa Ug'E5D