

Caso clínico: Caso clínico 1 Código: P1IHQSET-B1 Fecha de generación: 2025-02-25 08:27 Laboratorio: 200109 - Colcan

-	Patrón de tinción				Intensidad de tinción				% de células positivas				-
	Glutamina sintetasa	CD34	B-Catenina	Amiloide AA	Glutamina sintetasa	CD34	B-Catenina	Amiloide AA	Glutamina sintetasa	CD34	B-Catenina	Amiloide AA	
Resultados	1	2	3	1	4	2	4	4	5	6	7	5	8
COLCAN-002	1	2	1	2	4	2	4	2	5	6	5	6	9
COLCAN-003	1	3	3	1	10	10	10	10	5	5	5	5	9
COLCAN-004	1	3	3	3	10	10	10	10	7	7	7	7	9
COLCAN-005	1	3	3	1	4	10	4	10	7	5	11	5	8
COLCAN-006	1	3	3	1	12	2	2	4	13	6	6	5	8

Consenso de valoraciones - Grupo Diagnóstico

Consenso de valoraciones - Diagnóstico		
Adenoma hepatocelular con mutación de la beta-catenina	Adenoma hepatocelular con Mutación del HNF1A	Adenoma hepatocelular inflamatorio/telangiectásico
5 (23.81%)	2 (9.52%)	14 (66.67%)

Consenso de valoraciones - Grupo Patrón de tinción

Consenso de valoraciones - Marcador Glutamina sintetasa	
Nuclear	Citoplasmático
2 (9.52%)	19 (90.48%)

Consenso de valoraciones - Marcador CD34			
Citoplasmático	Membranoso	Ausente	Otro
1 (4.76%)	13 (61.9%)	6 (28.57%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Marcador B-Catenina	
Citoplasmático	Membranoso
3 (14.29%)	18 (85.71%)

Consenso de valoraciones - Marcador Amiloide AA				
Nuclear	Citoplasmático	Membranoso	Ausente	Otro
1 (4.76%)	15 (71.43%)	2 (9.52%)	1 (4.76%)	2 (9.52%)

Consenso de valoraciones - Grupo Intensidad de tinción

Consenso de valoraciones - Marcador Glutamina sintetasa		
Débil	Moderada	Fuerte
4 (19.05%)	14 (66.67%)	3 (14.29%)

Consenso de valoraciones - Marcador CD34	
--	--

Moderada	Fuerte	Ausente
1 (4.76%)	13 (61.9%)	7 (33.33%)

Consenso de valoraciones - Marcador B-Catenina			
Débil	Moderada	Fuerte	Ausente
1 (4.76%)	14 (66.67%)	5 (23.81%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Marcador Amiloide AA			
Débil	Moderada	Fuerte	Ausente
1 (4.76%)	13 (61.9%)	6 (28.57%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Grupo Porcentaje de células positivas

Consenso de valoraciones - Marcador Glutamina sintetasa				
Negativo	1% - 25%	26% - 50%	51% - 75%	76% - 100%
1 (4.76%)	1 (4.76%)	9 (42.86%)	6 (28.57%)	4 (19.05%)

Consenso de valoraciones - Marcador CD34		
Negativo	51% - 75%	76% - 100%
6 (28.57%)	4 (19.05%)	11 (52.38%)

Consenso de valoraciones - Marcador B-Catenina				
Negativo	1% - 25%	26% - 50%	51% - 75%	76% - 100%
1 (4.76%)	6 (28.57%)	2 (9.52%)	7 (33.33%)	5 (23.81%)

Consenso de valoraciones - Marcador Amiloide AA			
Negativo	1% - 25%	51% - 75%	76% - 100%
4 (19.05%)	1 (4.76%)	5 (23.81%)	11 (52.38%)

Interpretación **Concordante** **No concordante**

Convenciones para diagnósticos

[1] Citoplasmático [2] Ausente [3] Membranoso [4] Moderada [5] 76% - 100% [6] Negativo [7] 51% - 75% [8] Adenoma hepatocelular inflamatorio/telangiectásico [9] Adenoma hepatocelular con mutación de la beta-catenina [10] Fuerte [11] 1% - 25% [12] Débil [13] 26% - 50%

Caso clínico: Caso clínico 2 Código: P1IHQSET-B2 Fecha de generación: 2025-02-25 08:27 Laboratorio: 200109 - Colcan

-	Patrón de tinción				Intensidad de tinción				% de células positivas				-
	Racemasa	CA-IX	CD10	CK7	Racemasa	CA-IX	CD10	CK7	Racemasa	CA-IX	CD10	CK7	
Resultados	1	2	2	1	3	4	5	4	6	7	8	7	9
COLCAN-002	1	1	1	2	4	4	4	4	7	7	7	7	10
COLCAN-003	1	2	2	1	4	4	4	4	7	7	7	7	11
COLCAN-004	1	2	2	1	4	4	4	4	7	7	7	7	11
COLCAN-005	1	2	2	2	4	4	4	4	12	7	12	12	11
COLCAN-006	1	2	2	1	5	4	4	4	12	7	12	12	11

Consenso de valoraciones - Grupo Diagnóstico

Consenso de valoraciones - Diagnóstico		
Carcinoma renal de células claras con patrón de crecimiento papilar/pseudopapilar	Carcinoma renal de células claras papilar	Carcinoma renal papilar
13 (61.9%)	7 (33.33%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Grupo Patrón de tinción

Consenso de valoraciones - Marcador Racemasa	
Nuclear	Citoplasmático
2 (9.52%)	19 (90.48%)

Consenso de valoraciones - Marcador CA-IX	
Citoplasmático	Membranoso
3 (14.29%)	18 (85.71%)

Consenso de valoraciones - Marcador CD10			
Nuclear	Citoplasmático	Membranoso	Ausente
1 (4.76%)	10 (47.62%)	9 (42.86%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Marcador CK7	
Citoplasmático	Membranoso
16 (76.19%)	5 (23.81%)

Consenso de valoraciones - Grupo Intensidad de tinción

Consenso de valoraciones - Marcador Racemasa		
Débil	Moderada	Fuerte
9 (42.86%)	7 (33.33%)	5 (23.81%)

Consenso de valoraciones - Marcador CA-IX	
---	--

Fuerte	Ausente
20 (95.24%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Marcador CD10		
Moderada	Fuerte	Ausente
3 (14.29%)	16 (76.19%)	2 (9.52%)

Consenso de valoraciones - Marcador CK7			
Débil	Moderada	Fuerte	Ausente
1 (4.76%)	1 (4.76%)	18 (85.71%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Grupo Porcentaje de células positivas

Consenso de valoraciones - Marcador Racemasa			
1% - 25%	26% - 50%	51% - 75%	76% - 100%
3 (14.29%)	1 (4.76%)	11 (52.38%)	6 (28.57%)

Consenso de valoraciones - Marcador CA-IX	
26% - 50%	76% - 100%
1 (4.76%)	20 (95.24%)

Consenso de valoraciones - Marcador CD10			
Negativo	26% - 50%	51% - 75%	76% - 100%
1 (4.76%)	1 (4.76%)	12 (57.14%)	7 (33.33%)

Consenso de valoraciones - Marcador CK7		
26% - 50%	51% - 75%	76% - 100%
1 (4.76%)	13 (61.9%)	7 (33.33%)

Interpretación **Concordante** **No concordante**

Convenciones para diagnósticos

[1] Citoplasmático [2] Membranoso [3] Débil [4] Fuerte [5] Moderada [6] 1% - 25% [7] 76% - 100% [8] 26% - 50% [9] Carcinoma renal de células claras papilar [10] Carcinoma renal papilar [11] Carcinoma renal de células claras con patrón de crecimiento papilar/pseudopapilar [12] 51% - 75%

Caso clínico: Caso clínico 3 Código: P1IHQSET-B3 Fecha de generación: 2025-02-25 08:27 Laboratorio: 200109 - Colcan

-	Patrón de tinción				Intensidad de tinción				% de células positivas				-
	Marcador	CK7	PAX8	Calretinina	Napsina-A	CK7	PAX8	Calretinina	Napsina-A	CK7	PAX8	Calretinina	
Resultados	1	2	3	1	5	6	3	6	7	7	8	7	9
				4									
COLCAN-002	1	2	3	1	5	6	3	6	7	7	8	7	9
COLCAN-003	1	2	3	1	5	5	3	6	7	7	8	10	9
COLCAN-004	1	2	3	1	5	5	3	11	7	7	8	12	9
COLCAN-005	13	2	3	2	5	6	3	5	7	7	8	10	9
COLCAN-006	1	2	3	1	5	6	3	5	7	7	8	7	9

Consenso de valoraciones - Grupo Diagnóstico

Consenso de valoraciones - Diagnóstico	
Carcinoma ovárico de células claras metastásico	
21 (100%)	

Consenso de valoraciones - Grupo Patrón de tinción

Consenso de valoraciones - Marcador CK7	
Citoplasmático	Membranoso
16 (76.19%)	5 (23.81%)

Consenso de valoraciones - Marcador PAX8	
Nuclear	
21 (100%)	

Consenso de valoraciones - Marcador Calretinina	
Ausente	
21 (100%)	

Consenso de valoraciones - Marcador Napsina-A			
Nuclear	Citoplasmático	Perinuclear/en gota	Otro
1 (4.76%)	10 (47.62%)	9 (42.86%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Grupo Intensidad de tinción

Consenso de valoraciones - Marcador CK7	
Fuerte	
21 (100%)	

Consenso de valoraciones - Marcador PAX8	
--	--

Moderada	Fuerte
16 (76.19%)	5 (23.81%)

Consenso de valoraciones - Marcador Calretinina	
Ausente	
21 (100%)	

Consenso de valoraciones - Marcador Napsina-A		
Débil	Moderada	Fuerte
2 (9.52%)	14 (66.67%)	5 (23.81%)

Consenso de valoraciones - Grupo Porcentaje de células positivas

Consenso de valoraciones - Marcador CK7	
76% - 100%	
21 (100%)	

Consenso de valoraciones - Marcador PAX8	
51% - 75%	76% - 100%
7 (33.33%)	14 (66.67%)

Consenso de valoraciones - Marcador Calretinina	
Negativo	76% - 100%
20 (95.24%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Marcador Napsina-A		
26% - 50%	51% - 75%	76% - 100%
2 (9.52%)	11 (52.38%)	8 (38.1%)

Interpretación **Concordante** No concordante

Convenciones para diagnósticos

[1] Citoplasmático [2] Nuclear [3] Ausente [4] Perinuclear/en gota [5] Fuerte [6] Moderada [7] 76% - 100% [8] Negativo [9] Carcinoma ovárico de células claras metastásico Membranoso [10] 51% - 75% [11] Débil [12] 26% - 50% [13]

Caso clínico: Caso clínico 4 Código: P1IHQSET-B4 Fecha de generación: 2025-02-25 08:27 Laboratorio: 200109 - Colcan

-	Patrón de tinción				Intensidad de tinción				% de células positivas				-
	MLH1	MSH2	MSH6	PMS2	MLH1	MSH2	MSH6	PMS2	MLH1	MSH2	MSH6	PMS2	
Resultados	1	1	1	1	2	3	3	2	4	4	4	4	5
COLCAN-002	1	1	1	1	2	2	2	2	4	4	4	4	5
COLCAN-003	1	1	1	1	2	2	2	2	4	4	4	4	5
COLCAN-004	1	1	1	1	2	2	2	2	4	4	4	4	5
COLCAN-005	1	1	1	1	2	2	3	2	6	6	6	6	5
COLCAN-006	1	1	1	1	3	3	7	2	4	4	4	4	5

Consenso de valoraciones - Grupo Diagnóstico

Consenso de valoraciones - Diagnóstico	
Pérdida de la expresión nuclear solo del MSH6: alta probabilidad de Síndrome de Lynch	No hay pérdida de la expresión nuclear de las proteínas del complejo de reparación de apareamiento de bases (mismatch repair): baja probabilidad de alta inestabilidad de microsatélites.
1 (4.76%)	20 (95.24%)

Consenso de valoraciones - Grupo Patrón de tinción

Consenso de valoraciones - Marcador MLH1	
Nuclear	
21 (100%)	

Consenso de valoraciones - Marcador MSH2	
Nuclear	
21 (100%)	

Consenso de valoraciones - Marcador MSH6	
Nuclear	Ausente
20 (95.24%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Marcador PMS2	
Nuclear	
21 (100%)	

Consenso de valoraciones - Grupo Intensidad de tinción

Consenso de valoraciones - Marcador MLH1	
Moderada	Fuerte
11 (52.38%)	10 (47.62%)

Consenso de valoraciones - Marcador MSH2	
--	--

Moderada	Fuerte
4 (19.05%)	17 (80.95%)

Consenso de valoraciones - Marcador MSH6			
Débil	Moderada	Fuerte	Ausente
3 (14.29%)	10 (47.62%)	7 (33.33%)	1 (4.76%)

Consenso de valoraciones - Marcador PMS2	
Fuerte	21 (100%)

Consenso de valoraciones - Grupo Porcentaje de células positivas

Consenso de valoraciones - Marcador MLH1	
51% - 75%	76% - 100%
2 (9.52%)	19 (90.48%)

Consenso de valoraciones - Marcador MSH2	
51% - 75%	76% - 100%
2 (9.52%)	19 (90.48%)

Consenso de valoraciones - Marcador MSH6			
Negativo	26% - 50%	51% - 75%	76% - 100%
1 (4.76%)	6 (28.57%)	5 (23.81%)	9 (42.86%)

Consenso de valoraciones - Marcador PMS2	
51% - 75%	76% - 100%
1 (4.76%)	20 (95.24%)

Interpretación **Concordante** No concordante

Convenciones para diagnósticos

[1] Nuclear [2] Fuerte [3] Moderada [4] 76% - 100% [5] No hay pérdida de la expresión nuclear de las proteínas del complejo de reparación de apareamiento de bases (mismatch repair): baja probabilidad de alta inestabilidad de microsatelites. [6] 51% - 75% [7] Débil

Código:	ADI-FOR-57
Vigente desde:	26-Enero-2022
Versión:	2
Página:	9 de 9

- Final del reporte -
Página 8 de 9



Aprobado por:
Anna Valentina Pérez Porras.
Medical Science Liaison
Programas QAP PAT